

RESEARCH ARTICLE

충남 논산천과 삽교호로부터 야생효모의 분리 및 국내 미기록 효모들의 균학적 특성

장지은¹, 박선정¹, 문정수¹, 이향범², 이종수^{1*}

¹배재대학교 바이오의약학부, ²전남대학교 농생명화학과

Isolation of Wild Yeasts from Freshwaters and Soils in Nonsan Stream and Sapgyoho in Chungcheongnam-do, Korea, and Microbiological Characteristics of the Unrecorded Wild Yeasts

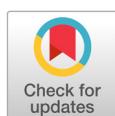
Ji-Eun Jang¹, Seon-Jeong Park¹, Jeong-Su Moon¹, Hyang Burm Lee², and Jong-Soo Lee^{1*}

¹Faculty of Biomedicine and Biotechnology, Paichai University, Daejeon 35345, South Korea

²Department of Agricultural Biological Chemistry, Chonnam National University Gwangju 61186, South Korea

*Corresponding author: biotech8@pcu.ac.kr

ABSTRACT



OPEN ACCESS

pISSN : 0253-651X
eISSN : 2383-5249

Kor. J. Mycol. 2021 September, 49(3): 337-349
<https://doi.org/10.4489/KJM.20210030>

Received: September 02, 2021

Revised: September 14, 2021

Accepted: September 23, 2021

© 2021 THE KOREAN SOCIETY OF MYCOLOGY.



This is an Open Access article distributed under the terms of the Creative Commons Attribution Non-Commercial License (<http://creativecommons.org/licenses/by-nc/4.0/>) which permits unrestricted non-commercial use, distribution, and reproduction in any medium, provided the original work is properly cited.

This study aimed to isolate wild yeasts from water and soil sample of the Nonsan stream and Sapgyoho (lake) in Chungcheongnam-do, Korea, and to further characterize previously unrecorded wild yeast strains. In total, 102 strains, representing 55 different species of wild yeast were isolated from 95 samples collected from the Jangseoncheon and Ipchoncheon of Nonsan stream in Jellabuk-do and Chungcheongnam-do. Among these, 33 strains were isolated from alkalophilic yeast extract-peptone-dextrose (YPD) medium (pH 9.0), and 9 strains were isolated concurrently on general YPD medium (pH 6.5) and alkalophilic medium. Seventeen strains of *Cryptococcus laurentii* were predominantly isolated. Additionally, 65 strains, representing 27 different species of wild yeast were isolated from 58 samples obtained from Sapgyoho (lake). Among the 82 isolated wild yeast strains, 8 strains, including *Candida fructus* JSC 72-1(JSL-GGU 015), had not previously been recorded. All 8 previously unrecorded yeasts were oval in shape except *C. fructus* JSC72-1(JSL-GGU-015), and only the *Filobasidium chernovii* JSC39-1(JSL-GGU-013) strain formed spores. All strains except *Pseudosydowia eucalypti* JSC23-6(JSL-GGU-012) grew well in yeast extract-peptone-dextrose (YPD) and yeast extract-malt extract media and grew in vitamin-free medium. Four strains, including *P.eucalypti* JSC23-6(JSL-GGU-012) grew well in 15% NaCl-containing YPD medium. *F.chernovii* JSC39-1(JSL-GGU-013) and *Sirobasidium intermedium* JSC7-3(JSL-GGU-014) assimilated lactose, and five strains, including *F. chernovii* JSC39-1(JSL-GGU-013) also assimilated starch. All strains were resistant to 800 ppm of Ca, Cu, Li, and Mg ions.

Keywords: Microbiological characteristics, Nonsan stream, Sapgyoho, Unrecorded yeasts, Wild yeasts

서론

진균류인 효모는 오래전부터 전통 발효식품 제조 등에 이용되어 왔고[1-3] *Saccharomyces* 속 균을 중심으로 외래 유전자 발현을 위한 분자생물학적 연구 재료 균주로 귀중하게 이용되어오고 있다[4]. 또한, 비타민과 아미노산 및 일부 효모들의 여러가지 생리활성 물질들[5-8]과 probiotics균들이 보고되고 있다[9].

지금까지 효모균의 분리 및 동정은 주로 전통 발효식품과 이들의 원료로부터 실시되어 왔고 [1,2] 최근에는 야생화와 토양 등 자연환경으로부터 다양한 야생효모들이 분리, 동정되어 이들의 효모 종 분포특성 [10-21]과 비병원성 균들에 대한 생리활성 물질 생산 등이 보고되었다 [7,8,12,16,17]. 또한, 담수환경으로부터의 새로운 효모균류 발굴 목적으로 필자 등은 낙동강과 영산강, 금강 등 우리나라 주요 강과 대전천 등 하천 주변 물과 토양 등으로부터 다양한 야생 효모들을 분리, 동정하여 보고하였고[22-27] 이들 야생화와 토양 및 담수 환경으로부터 150여종의 국내 미기록 야생효모들을 선별하여 이들의 균학적 특성 등을 보고하였다[18,22,25,26,29-31].

한편, 금강 하류의 제1지류인 논산천은 전북 완주군 외사봉줄기에서 발원하여 귀목동천과 안심천, 장선천, 입촌천, 웅천 등을 거쳐 논산 저수지(탑정호수)로 유입된 후 백마강과 강경을 거쳐 서해로 흘러간다[32-33]. 이들 하천은 대체로 수량이 풍부하고 모래와 잔자갈이 많고 논과 밭이 많으며 벼, 땅기, 양파, 고구마 등이 주로 경작되고 있다. 삽교호는 아산만의 삽교천 하구를 가로 막은 인공 담수호로서 충남 당진과 아산, 예산, 홍성 등의 무한천, 삽교천, 곡류천 등의 물들이 유입되고 이들 지역의 넓은 평야와 간석지 등의 농업용수 확보를 목적으로 만들어졌다. 그러나, 이렇게 농업용수와 생활환경 조정자로서 중요한 역할을 하는 논산천과 삽교호에 대한 이들 지역의 생태환경 연구는 매우 미흡하여 Lee 등[33]이 논산천의 어류군집 분포 특성이 보고되었을 뿐이다.

따라서 본 연구에서는 금강 하류의 지천으로 전북 완주와 충남 논산으로 이어지는 논산천과 충남 아산만의 삽교호 주변의 야생 효모 종 분포특성을 알아보기 위해 이들 지역 주변의 물과 토양 등으로부터 야생 효모들을 분리하여 동정하였다. 또한, 이들 야생 효모들 중 국내에 보고되지 않은 미기록 야생 효모들을 선별하여 이들의 균학적 특성을 조사하였다.

재료 및 방법

야생 효모의 분리 및 동정

금강 하류의 지천인 논산천을 이루는 전북 완주군 장선천($36^{\circ}04'50.0"N, 127^{\circ}17'05.7"E$), 충남 논산의 입촌천($36^{\circ}08'22.5"N, 127^{\circ}14'01.5"E$)과 충남 아산만의 삽교호($36^{\circ}52'16.9"N, 126^{\circ}51'34.2"E$)주변 물, 토양과 야생화 등 시료 153점들을 2021년 3월과 5월, 7월에 채취하였다.

이들 시료들을 멸균 튜브에 넣고, 5 mL의 멸균수를 첨가한 후 2시간 동안 진탕하였다. 이들 혼탁액 일부를 스트렙토마이신($100 \mu\text{g}/\text{mL}$)과 앰피실린($100 \mu\text{g}/\text{mL}$)이 들어 있는 yeast extract-peptone-dextrose (YPD, pH 6.5) 한천배지에 도말하고 30°C 에서 48시간 배양한 후 형성된 효모 집락들을 일반 야생 효모균주로 분리하였다[31] YPD배지의 초기 pH를 9.0으로하여 분리한 효모들을 호알칼리성 효모로 분리하였다.

분리 효모들의 동정을 위하여 먼저 분리 균주들의 26S rDNA의 D1/D2 부위를 colony PCR과 전기영동을 실시하여 효모 밴드를 확인한 후 이들의 염기서열들을 결정하고 결정된 염기서열들을 NCBI의 BLAST를 사용하여 데이터베이스에 등록되어 있는 효모들과의 상동성 비교와 분자생물학적 유연관계를 분석하여 동정하였다[25-31].

국내 미기록 효모들의 선별 및 특성

위와 같이 분리, 동정한 야생 효모들을 대상으로 국립 생물자원관 데이터 베이스와 한국 진균 관련 학술자료들을 이용하여 국내 미기록 효모들을 선별한 후 일반 미생물 실험방법 등을 이용하여 이들의 형태학적 특성과 배양학적 특성을 조사하였고[25,31], 탄소원들에 대한 자화성과 발효성은 yeast nitrogen base (YNB) 배지를 최소배지로 하여 각각의 당과 당알코올 등을 1%씩 첨가하고 Durham tube를 넣어 30°C에서 72시간 배양한 후 생육과 이산화탄소 생성 유무를 확인하여 조사하였다.

또한, YPD배지에 에탄올을 0-10%, CoCl₂등의 중금속들을 400/800 ppm씩 각각 첨가하여 30°C에서 72시간 배양한 후 이들의 생육도를 측정하여 내성을 조사하였다[1,2].

결과 및 고찰

충남 논산천 주변 생태환경으로부터 야생 효모의 분리 및 미기록 야생 효모들의 선별

논산천을 이루는 전북 장선천과 충남 입촌천 주변의 물과 토양 95점에서 일반 효모 69균주와 호알칼리성 균주 33주 등 모두 55종, 101균주의 야생 효모들을 분리하였고 이들 야생효모 종에서 9종의 효모들은 일반 효모 배지와 알칼리성 배지에서 동시에 분리되었다(Table 1). 또한, 이들 101 균주들 중 *Cryptococcus laurentii* 균주가 17균주로 가장 많았고 *Sporobolomyces carnicollar* 균주도 7 균주로 많이 분리되었다.

한편, *Candida panamericana* JSC6-3(JSL-GGU-011), *Pseudosydowia eucalypti* JSC23-6(JSL-GGU-012), *Filobasidium chernovii* JSC39-1(JSL-GGU-013), *Sirobasidium intermedium* JSC7-3(JSL-GGU-014), *Candida fructus* JSC72-1(JSL-GGU-015), *Candida stauntonica* JSC20-1(JSL-GGU-016) 등 6 균주들이 우리나라에 아직까지 보고되지 않은 국내 미기록 야생효모들로 선별되었다(Table 1).

충남 아산 삽교호 주변 생태환경으로부터 야생효모의 분리 및 동정

충남 아산만의 삽교호 주변 물과 식물체 부식물 및 토양 58점에서 YPD (pH 6.5) 배지에서 34 균주, 호알칼리성 YPD (pH 9.0) 배지에서 31균주 등 모두 65균주의 야생효모들이 분리되었다 (Table 2). 이들 65균주 중 9균주가 일반 효모 배지와 호알칼리성 배지에서 공통적으로 분리되었다. 이들 중 *Candida tritomae* 균주가 전체 19%인 12균주로 가장 많았고 *Pseudozyma aphidis* 균주도 6균주로 많이 분리되었다.

한편, *C. tritomae* SG 55M-3(JSL-KSS-003) 균주와 *Kwoniella mangrovensis* ASG 21W-2(JSL-KSS-004) 균주들이 국내 미기록 효모들로 최종 선별되었다(Table 2).

Table 1. Isolated wild yeast from freshwaters and soils in Nonsan stream between Wanju-gun in Jellabuk-do and Nonsan city in Chungcheongnam-do, Korea.

No.	Putative species	Isolated No.	Related Genebank No.	Identity(%)	Remarks
1	<i>Aureobasidium namibiae</i>	JSC22-3	KR632589.1	562/562(100%)	General yeasts
2	<i>Aureobasidium pullulans</i>	JSC8-1	KC160604.1	567/567(100%)	
		JSC23-3	LC326044.1	566/566(100%)	
3	<i>Barnetozyma californica</i>	JSC31-1	MF420370.1	584/585(99%)	
4	<i>Bulleromyces albus</i>	JSC24-3	KC433819.1	568/568(100%)	
5	<i>Candida panamericana</i>	JSC6-3	AY309874.1	512/522(98%)	Unrecorded yeast
6	<i>Candida pseudolambica</i>	JSC7-1	HQ111494.1	545/545(100%)	
		JSC54-1	KJ756756.1	540/540(100%)	
7	<i>Cryptococcus aureus</i>	JSC51-1	KT895965.1	592/592(100%)	
8	<i>Cryptococcus diffliens</i>	JSC46-2	KM085333.1	558/558(100%)	
9	<i>Cryptococcus flavescens</i>	JSC4-3	EU386723.1	593/593(100%)	
10	<i>Cryptococcus flavus</i>	JSC4-1	EU523632.1	574/574(100%)	
11	<i>Cryptococcus laurentii</i>	JSC6-1	KC433775.1	591/591(100%)	
		JSC49-1	JQ968469.1	591/591(100%)	
12	<i>Cyberlindnera sargentensis</i>	JSC7-4	HM461618.1	549/549(100%)	
13	<i>Cyberlindnera saturnus</i>	JSC29-1	EF460512.1	549/549(100%)	
14	<i>Cystobasidium slooffiae</i>	JSC34-2	GU373763.1	584/584(100%)	
15	<i>Dioszegia hungarica</i>	JSC44-2	JF706609.1	568/578(98%)	
16	<i>Dioszegia zsoltii</i>	JSC39-3	JQ219318.1	588/589(99%)	
17	<i>Filobasidium chernovii</i>	JSC39-1	KC433769.1	581/595(98%)	Unrecorded yeast
18	<i>Hannaella kunmingensis</i>	JSC37-1	FJ828962.1	605/626(97%)	
19	<i>Hanseniaspora occidentalis</i>	JSC48-1	EU268641.1	564/564(100%)	
20	<i>Issatchenkia hanoiensis</i>	JSC7-2	EF460516.1	534/534(100%)	
21	<i>Oenothera odorata</i>	JSC25-2	JX975678.1	600/600(100%)	
22	<i>Papiliotrema aspenensis</i>	JSC24-1	KX621788.1	576/577(99%)	
23	<i>Papiliotrema aurea</i>	JSC16-2	JN004200.1	585/587(99%)	
24	<i>Pichia occidentalis</i>	JSC21-1	KY463390.1	532/532(100%)	
25	<i>Pseudosydowia eucalypti</i>	JSC23-6	KU167701.1	547/563(97%)	Unrecorded yeast
26	<i>Pseudozyma antarctica</i>	JSC12-2	JQ650240.1	636/642(99%)	
27	<i>Pseudozyma aphidis</i>	JSC3-3	JX049426.1	593/593(100%)	
28	<i>Pseudozyma tsukubaensis</i>	JSC8-2	JQ219313.1	610/616(99%)	
29	<i>Rhodosporidium fluviale</i>	JSC47-1	KJ507301.1	569/569(100%)	
30	<i>Rhodotorula mucilaginosa</i>	JSC3-2	KU316772.1	606/614(99%)	
31	<i>Rhodotorula nothofagi</i>	JSC10-1	KP171572.1	579/579(100%)	
32	<i>Saccharomyces cerevisiae</i>	JSC41-2	KY296071.1	606/616(98%)	
33	<i>Saitozyma flava</i>	JSC16-1	KY952856.1	593/594(99%)	
34	<i>Sirobasidium intermedium</i>	JSC7-3	AF075492.1	608/630(97%)	Unrecorded yeast
35	<i>Sporidiobolus pararoseus</i>	JSC24-2	MF045462.1	606/615(99%)	
36	<i>Sporobolomyces carnicolor</i>	JSC11-2	DQ841276.1	576/578(99%)	
37	<i>Trichosporon porosum</i>	JSC29-3	EF460563.1	570/570(100%)	
38	<i>Ustilago spermophora</i>	JSC34-1	FJ527112.1	580/580(100%)	
39	<i>Ustilentyloma graminis</i>	JSC53-1	MF448311.1	568/568(100%)	
40	<i>Vanrija humicola</i>	JSC6-2	EF653916.1	568/569(99%)	
41	<i>Vishniacozyma tephrensis</i>	JSC39-2	GQ911508.1	590/592(99%)	
42	<i>Vishniacozyma victoriae</i>	JSC43-2	KT970768.1	627/635(99%)	
43	<i>Wickerhamomyces pijperi</i>	JSC38-1	KY416958.1	510/511(99%)	
44	<i>Zygomillioopsis californica</i>	JSC31-4	HQ111497.1	513/514(99%)	

Table 1. Continued

No.	Putative species	Isolated No.	Related Genebank No.	Identity(%)	Remarks
1	<i>Aureobasidium pullulans</i>	AJSC18-2	JN004193.1	560/560(100%)	Alkalophilic yeasts
2	<i>Bullera sinensis</i>	AJSC37-2	EU002794.1	574/574(100%)	
3	<i>Candida fructus</i>	AJSC72-1	HM461701.1	476/477(99%)	Unrecorded yeast
4	<i>Candida stauntonica</i>	AJSC20-1	FJ527095.1	545/545(100%)	Unrecorded yeast
5	<i>Cryptococcus flavescens</i>	AJSC12-4	EU386723.1	592/592(100%)	
6	<i>Cryptococcus laurentii</i>	AJSC10-2	JQ968469.1	591/591(100%)	
		AJSC23-1	KC433775.1	592/592(100%)	
7	<i>Hannaella kunningensis</i>	AJSC41-1	FJ828962.1	605/626(97%)	
8	<i>Hannaella oryzae</i>	AJSC3-1	JN544025.1	576/577(99%)	
9	<i>Papiliotrema aurea</i>	AJSC35-1	JN004200.1	591/599(99%)	
10	<i>Papiliotrema flavescens</i>	AJSC39-1	MF045447.1	591/591(100%)	
11	<i>Papiliotrema laurentii</i>	AJSC49-1	LC497428.1	583/583(100%)	
12	<i>Pseudozyma hubeiensis</i>	AJSC8-1	KC845937.1	584/586(99%)	
13	<i>Pseudozyma tsukubaensis</i>	AJSC8-2	LC333508.1	588/589(99%)	
14	<i>Rhodosporidium azoricum</i>	AJSC10-1	AF321978.1	549/550(99%)	
15	<i>Rhodotorula mucilaginosa</i>	AJSC46-1	KU316766.1	597/603(99%)	
16	<i>Rhodotorula taiwanensis</i>	AJSC33-2	KR995814.1	554/555(99%)	
17	<i>Saitozyma podzolica</i>	AJSC46-2	KU167681.1	573/583(98%)	
18	<i>Sporobolomyces carnicolor</i>	AJSC45-1	FJ527107.1	546/546(100%)	
19	<i>Trichosporon porosum</i>	AJSC29-2	EF460563.1	570/570(100%)	
20	<i>Ustilago trichophora</i>	AJSC43-1	AJ236141.2	631/644(98%)	

최근 담수환경으로부터 새로운 야생균류 발굴에 대한 관심이 높아지고 있고 이를 환경의 효모 종 분포 특성을 조사하기 위해 필자 등은 금강 하류 충남 서천부터 중류인 대전광역시 신탄진의 대청호 주변과 금강 상류인 금산 지역의 담수와 토양 환경에서 *Candida subhashii*, *Bullera japonica*, *Cry. magnus*, *C. chauliodes*, *Holtermanniella takashimae*, *Cryptococcus*, *Rhodotorular* 속 균들이 많이 분포하고 있음을 보고하였다[24,25,27]. 또한 낙동강과 영산강[22], 대전천과 갑천[23] 등지에서 다양한 야생 효모들이 분리, 동정되었고 이를 중 국내 미기록 효모들의 특성 등이 보고되었다 [22,26,27]. 한편, 전 등[26]은 태백 하천에서 국내 미기록 야생 효모들을 분리하여 이들의 특성을 보고한 바 있다.

국내 미기록 야생 효모들의 군학적 특성 및 효소활성

위와 같이 금강의 지천인 논산천과 서해안 아산만의 담수 호수인 삽교호 주변에서 분리한 야생 효모들 중 국내 미기록 야생 효모들로 최종 선별된 *C. panamericana* JSC6-3 (JSL-GGU-011), *P. eucalypti* JSC23-6 (JSL-GGU-012), *F. chernovii* JSC39-1 (JSL-GGU-013), *Sir. intermedium* JSC7-3 (JSL-GGU-014), *C. fructus* JSC72-1 (JSL-GGU-015), *C. stauntonica* JSC20-1 (JSL-GGU-016), *C. tritomae* SG 55M-3 (JSL-KSS-003) 균주와 *K. mangrovensis* ASG 21W-2 (JSL-KSS-004) 등 8주들에 대하여 군학적 특성으로 형태학적, 배양학적 특성과 중금속 등에 대한 내성 및 탄소원들에 대한 자화성과 발효성을 조사하였다(Table 3, 4),

Table 2. Isolated wild yeast from freshwaters and soils in Sapgyoho (lake) of Chungcheongnam-do, Korea.

No.	Putative species	Isolated No.	Related Genebank No.	Identity(%)	Remarks
1	<i>Candida panamensis</i>	SG57M-1	FJ614685.1	531/549(97%)	General yeasts
2	<i>Candida tritomae</i>	SG55M-3	AY242255.2	528/540(98%)	Unrecorded yeast
3	<i>Cryptococcus aureus</i>	SG10-1	KT895965.1	590/591(99%)	
4	<i>Cryptococcus laurentii</i>	SG47-2	KP789312.1	595/596(99%)	
5	<i>Papiliotrema aurea</i>	SG7-1	JN004200.1	584/587(99%)	
6	<i>Papiliotrema flavescens</i>	SG2-3	MF448286.1	590/590(100%)	
7	<i>Papiliotrema laurentii</i>	SG39-1	KX118629.1	591/592(99%)	
8	<i>Pseudozyma antarctica</i>	SG1-1	JQ650240.1	633/640(99%)	
9	<i>Pseudozyma aphidis</i>	SG3-1	JX049426.1	591/591(100%)	
10	<i>Rhodosporidium babjevae</i>	SG8-1	EU386721.1	570/570(100%)	
11	<i>Rhodosporidium fluviale</i>	SG47-3	KJ507301.1	573/574(99%)	
12	<i>Rhodotorula mucilaginosa</i>	SG49-1	MF462790.1	565/565(100%)	
13	<i>Sporidiobolus pararoseus</i>	SG2-2	KU167710.1	564/567(99%)	
		SG36-3	KU609453.1	557/559(99%)	
14	<i>Sporobolomyces carnicolor</i>	SG22-2	KU316784.1	543/543(100%)	
15	<i>Ustilentlyoma graminis</i>	SG38-2	MF448292.1	574/575(99%)	
16	<i>Vanrija humicola</i>	SG28-1	KU316773.1	587/588(99%)	
		SG50M-1	KX791410.1	576/576(100%)	
1	<i>Apotrichum scarabaeorum</i>	ASG2-1	AF444710.1	571/572(99%)	Alkalophilic yeasts
		ASG55M-2	FJ614685.1	530/548(97%)	
2	<i>Candida pseudolambica</i>	ASG17W-1	EF460528.1	534/534(100%)	
3	<i>Candida zeylanoides</i>	ASG11-1	KC510068.1	555/555(100%)	
4	<i>Cryptococcus flavescens</i>	ASG36-1	KC160615.1	584/585(99%)	
5	<i>Cryptococcus flavus</i>	ASG47-2	AB863528.1	548/548(100%)	
6	<i>Cryptococcus laurentii</i>	ASG34-1	KP789312.1	594/596(99%)	
7	<i>Hanseniaspora uvarum</i>	ASG51M-1	MN203647.1	573/573(100%)	
8	<i>Kwoniella mangrovensis</i>	ASG21W-2	JQ968532.1	561/568(99%)	Unrecorded yeast
9	<i>Lachancea thermotolerans</i>	ASG7-1	HM191681.1	557/557(100%)	
10	<i>Papiliotrema aurea</i>	ASG37-2	JN004200.1	584/587(99%)	
11	<i>Papiliotrema flavescens</i>	ASG45-1	MF448286.1	590/590(100%)	
12	<i>Papiliotrema laurentii</i>	ASG30-1	KX118629.1	591/592(99%)	
13	<i>Pichia occidentalis</i>	ASG49-2	KY463390.1	532/532(100%)	
14	<i>Pseudozyma aphidis</i>	ASG3-1	KC763347.1	583/583(100%)	
15	<i>Rhodotorula ingeniosa</i>	ASG33-1	KP263771.1	565/565(100%)	
16	<i>Rhodotorula mucilaginosa</i>	ASG49-3	AF444738.1	587/597(98%)	
17	<i>Sporidiobolus pararoseus</i>	ASG3-4	KU167710.1	561/562(99%)	
18	<i>Sporobolomyces phaffii</i>	ASG10-3	FJ527108.1	546/546(100%)	
19	<i>Ustilentlyoma graminis</i>	ASG38-2	MF448311.1	578/580(99%)	
20	<i>Vanrija humicola</i>	ASG50M-1	KX791410.1	576/576(100%)	

Table 3. Microbiological characteristics of the unrecorded wild yeasts from Nonsan stream and Sapgyoho in Korea.

Characteristics	<i>Candida panamericana</i>	<i>Pseudosydowia eucalypti</i>	<i>Filobasidium chenovii</i>	<i>Sirobasidium intermedium</i>	<i>Candida fructus</i>	<i>Candida stauntonica</i>	<i>Candida tritonae</i>	<i>Kwoniella mangrovensis</i>
	JSC6-3	JSC23-6	JSC39-1	JSC7-3	JSC72-1	JSC20-1	SG55M-3	ASG21W-2
Shape	Oval	Oval	Oval	Global	Oval	Oval	Oval	Oval
Size(μm)	0.9×1.6	2.2×1.1	1.1×1.9	0.9×1.4	1.0×1.1	0.9×0.6	1.7×0.8	1.8×1.4
Vegetative reproduction	Budding	Budding	Budding	Budding	Budding	Budding	Budding	Budding
Spore	-	-	+	-	-	-	-	-
Pseudomycelium	-	-	-	-	-	-	-	-
Growth on YPD/YM/YPD ²⁾ media	++/+/-/+ ¹⁾	+/-/+/-	++/++/++	++/++/++	++/++/++	++/++/++	++/++/++	++/++/++
Color on YPD medium	White	Cream	Cream	White	Cream	White	White	White
Growth:								
- vitamin-free medium	+	-	++	++	+	++	++	++
- 30%/40%/50% glucose YPD medium	++/+-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-
- 5/15/20% NaCl YPD medium	++/+-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-
- 5/10% ethanol YPD medium	++/-	+-	+-	+-	+-	+-	+-	+-
- Heavy metal resistance (400/800 ppm)								
CaCl ₂ , MgSO ₄	++/++/++	++/++/++	++/++/++	++/++/++	++/++/++	++/++/++	++/++/++	++/++/++
CuSO ₄ , LiCl	++/++/++	++/++/++	++/++/++	++/++/++	++/++/++	++/++/++	++/++/++	++/++/++
FeCl ₃	++/-	++/-	++/-	++/-	++/-	++/-	++/-	++/-
CoCl ₂	+++/++	++/+	++/+	++/+	++/+	++/+	++/+	++/+
ZnCl ₂	++/+	+-	+-	+-	+-	+-	+-	+-
Growth range of temp./pH	20-30°C/ pH4.0-8.0	20-30°C/ pH4.0-6.0	20-35°C/ pH4.0-8.0	20-35°C/ pH4.0-8.0	20-35°C/ pH4.0-8.0	20-35°C/ pH4.0-8.0	20-30°C/ pH4.0-7.0	20-30°C/ pH4.0-9.0

¹⁾+, growth; -, no growth; ²⁾YPD:yeast extract-peptone-dextrose, YM:yeast malt, PD:potato dextrose.

Table 4. Assimilation and fermentation on sugars, sugar alcohols and organic acid of unrecorded wild yeasts.

sugars/sugar alc.	<i>Candida panamericana</i>	<i>Pseudosydowia eucalyptii</i>	<i>Filobasidium chernovii</i>	<i>Sirobasidium intermedium</i>	<i>Candida fructus</i>	<i>Candida stauntonica</i>	<i>Candida tritonae</i>	<i>Kwoniella mangrovensis</i>	(Assimilation/fermentation)	
	JS6-3	JS23-6	JSC39-1	JSC7-3	JSC72-1	JSC20-1	SG53M-3	ASG21W-2		
glucose	+(+ ¹⁾	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-
fructose	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-
galactose	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-
mannose	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-
sucrose	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-
maltose	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-
lactose	-/-	-/-	-/-	-/-	-/-	-/-	-/-	-/-	-/-	+/-
cellobiose	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-
raffinose	-/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-
starch	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-
xylose	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-
mannitol	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-
sorbitol	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-	+/-
citric acid	++	++	++	+	++	++	++	+	+++	
acetic acid	-	-	-	-	-	-	-	-	-	

¹⁾+, growth or CO₂ formation; -, no growth or no CO₂ formation

형태학적, 배양학적 특성; 이들 미기록 효모들의 형태적, 배양적 특성과 이들의 phylogenetic trees는 각각 Table 3, Fig. 1-A, Fig. 1-B와 같다. 이들 미기록 효모들 중 *C. fructus* JSC72-1외에는 모두 난형으로 출아에 의해 영양 증식을 하였고 *F. chernovii* JSC39-1 균주만이 포자를 형성하였으며 모든 균주들이 의균사를 형성하지 않았다. *P. eucalypti* JSC23-6 균주만이 vitamin-free배지에서 생육하지 못했고 대부분의 균주들이 40% 포도당을 함유한 YPD배지에서 생육하는 내당성을 보였으며 특히 *C. panamericana* JSC6-3등 3균주들은 15% NaCl을 함유한 YPD배지에서도 생육이 비교적 양호한 호염성균으로 내염성 대사산물 생산에 매우 유용할 것으로 사료된다.

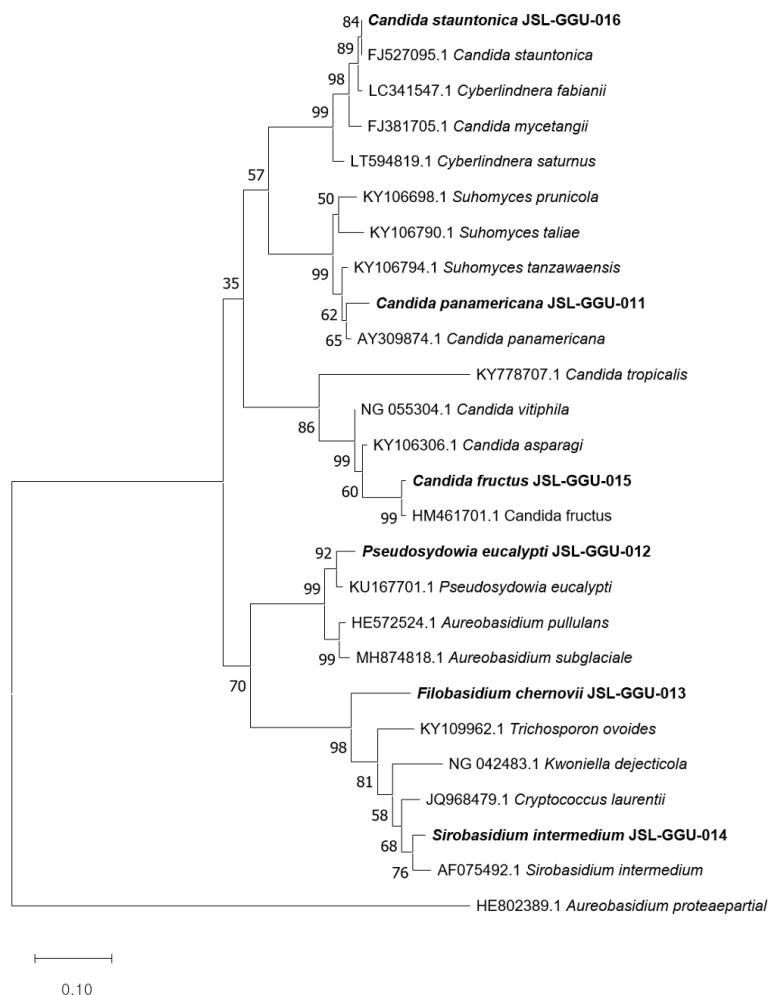


Fig. 1-A. Phylogenetic tree of the unrecorded yeasts isolated from freshwaters and soils of Nonsan upstream, based on the nucleotide sequences of large subunit 26Sribosomal DNA D1/D2 region. The tree was generated by the neighbor-joining method, using MEGA 7. The bar indicates the number of substitutions per position. The new isolates from the present study are shown in bold and its detailed characteristics were described in Tables 3 and 4. (Bold type font; unrecorded yeasts.)

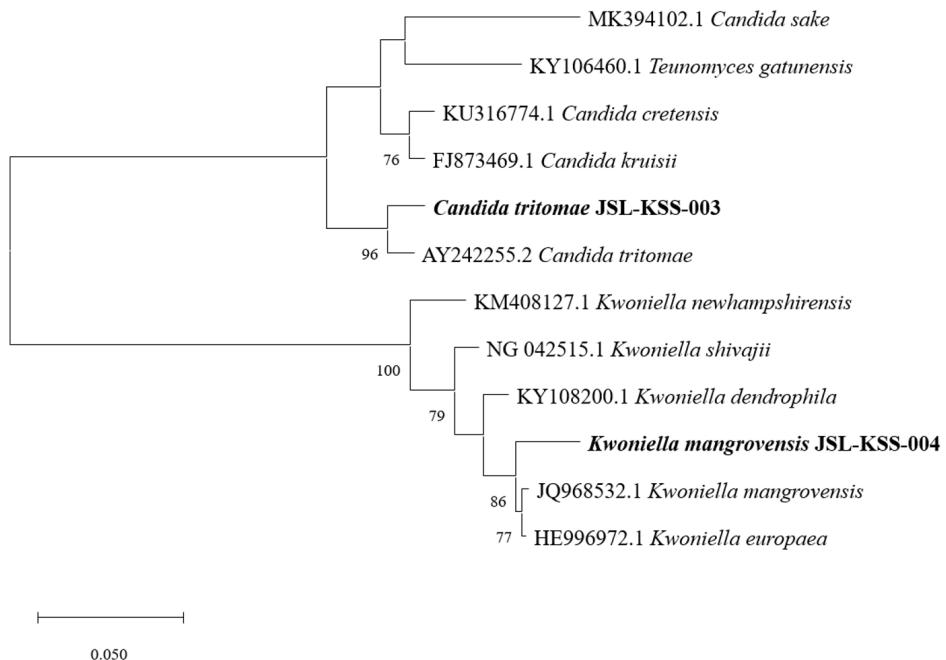


Fig. 1-B. Phylogenetic tree of the unrecorded yeasts isolated from freshwaters and soils of Sapgyoho(lake), based on the nucleotide sequences of large subunit 26S ribosomal DNA D1/D2 region. The tree was generated by the neighbor-joining method, using MEGA 7. The bar indicates the number of substitutions per position. The new isolates from the present in Tables 3 and 4. (Bold type font; unrecorded yeasts.)

증금속 이온들에 대한 내성; 8주의 국내 미기록 야생 효모들의 증금속 이온들에 대한 내성을 조사한 결과 모든 미기록 효모들이 Ca, Cu, Li, Mg 이온들에 대하여 800 ppm까지 내성을 보였고 특히 삼교호에서 선별한 *C. tritomae* SG55M-3 균주와 *K. mangrovensis* ASG 21W-2 균주들은 Ca, Cu, Li, Mg, Co, Fe, Zn 이온들에 대하여 800 ppm까지 강한 내성을 보였다. 이러한 증금속 이온들에 대한 내성은 이 등[1]이 우리나라 전통 장류에서 분리한 *Saccharomyces* 속 균들과 호염성 *Zygosaccharomyces* 속 균들이 Pb, Hg, Co, Cu 등의 2가 금속이온들에 대하여 800 ppm 내성을 보였다는 결과와 유사하였다.

탄소원들에 대한 자화성과 발효성; 미기록 야생 효모들의 탄소원으로 당류와 당알코올 및 유기산들에 대한 자화성과 발효성을 조사한 결과 Table 4와 같다. 미기록 효모들 모두 포도당과 fructose, sucrose들을 자화시켰고 특히 *F. chernovii* JSC39-1등 3균주들은 lactose를 자화시켰다. *C. panamericana* JSC6-3등 5균주들은 전분을 자화시켰고 모든 미기록 효모 균주들이 구연산을 이용하였으나 초산은 이용하지 못하였다.

한편, 이들 국내 미기록 효모들에 대한 국외 연구로 Suh 등은 버섯 자실체 서식 딱정벌레의 소화기관 등에서 *C. panamericana* [34]와 *C. tritomae* 균주를 처음 분리하여 보고하였고, Khan 등은 소아암 환자의 코 조직에서 *F. chernovii*를 분리하여 보고하였다 [35, 36]. 또한 Baraniak 등[37] xylose를 자화시키는 *C. fructus*를 선별하여 2%의 xylose 발효배지에 리터당 1g 이상의 ethanol을 생산하였다고 보고하였고 El-Gendy 등[38]은 알긴산으로 고정화시킨 *C. stauntonica*로부터 리터당 4.4g의 bioethanol을 생산하였음을 보고하였다 [38].

적요

본 연구는 금강 하류 지천으로 전북 완주와 충남 논산으로 이어지는 논천천과 충남 아산만의 인공 담수호인 삽교호 주변 환경의 야생 효모들의 효모 종 분포 특성을 조사하고 국내 미발표된 효모들을 선별하여 이들의 균학적 특성들을 알아보기 위해 실시되었다. 전북 완주군의 장선천과 충남 논산의 입촌천 주변 물과 토양 95점에서 101균주의 야생 효모들을 분리, 동정하였고, 이들 중 *C. panamericana* JSC6-3 (JSL-GGU-011), *P. eucalypti* JSC23-6 (JSL-GGU-012), *F. chernovii* JSC39-1 (JSL-GGU-013), *Sir. intermedium* JSC7-3 (JSL-GGU-014), *C. fructus* JSC72-1 (JSL-GGU-015), *C. stauntonica* JSC20-1 (JSL-GGU-016) 등 6균주들을 국내 미기록 야생 효모들로 선별하였다. 또한, 삽교호 주변 환경에서 채취한 시료 58점으로부터 *C. tritomae* SG 55M-3 등 65균주의 야생 효모들을 분리, 동정하였고 이들 중 *C. tritomae* SG 55M-3 (JSL-KSS-003) 균주와 *K. mangrenensis* ASG 21W-2 (JSL-KSS-004) 균주들이 국내 미기록 야생 효모들로 최종 선별되었다. 이들 미기록 효모들은 *C. fructus* JSC72-1 외에 모두 난형이었고 *F. chernovii* JSC39-1 균주만이 포자를 형성하였으며 모든 균주들이 의균사를 형성하지 않았다. *P. eucalypti* JSC23-6 균주만이 vitamin-free 배지에서 생육하지 못했고 *C. panamericana* JSC6-3 등 3균주들은 15% NaCl을 함유한 YPD 배지에서도 생육하는 호염성 균들이었다. 선별된 미기록 효모들은 Ca, Cu, Li, Mg 이온들에 대하여 800 ppm까지 내성을 보였고 모두 포도당과 fructose, sucrose 등을 자화시켰으며 특히 *F. chernovii* JSC39-1 등 3균주들은 lactose 를, *C. panamericana* JSC6-3 등 5균주들은 전분을 자화시켰다.

ACKNOWLEDGEMENTS

This work was supported by a grant from the Nakdonggang National Institute of Biological Resources (NNIBR, project No: NNIBR20212001), funded by the Ministry of Environment (MOE) of the Republic of Korea.

REFERENCES

1. Lee JS, Choi YJ, Kwon SJ, Yoo JY, Chung DH. Screening and characterization of osmotolerant and gas-producing yeasts from traditional Doenjang and Kochujang. Food Biotechnol 1996;5:54-8.
2. Lee JS, Lee SH, Kwon SJ, Ahn C, Yoo JY. Enzyme activities and physiological functionality of yeasts from traditional Meju. Kor J Appl Microbiol Biotechnol 1997;25:448-53.
3. Kim JH, Kim NM, Lee JS. Physiological characteristics and ethanol fermentation of thermotolerant yeast *Saccharomyces cerevisiae* OE from traditional meju. Kor J Food Nutr 1999;12:490-5.
4. Ryu HY. Advanced technologies and mechanisms for yeast evolutionary engineering. Mycobiol 2020;48:423-8.
5. Lee DH, Lee DH, Lee JS. Characterization of a new antidementia β -secretase inhibitory peptide from *Saccharomyces cerevisiae*. Enzyme and Microbiol Technol 2007;42:83-8.
6. Jeong SC, Lee DH, Lee JS. Production and characterization of an anti-angiogenic agent from *Saccharomyces cerevisiae* K-7. J Microbiol Biotechnol 2006;16:1904-11.

7. Han SM, Lee JS. Production and its anti-hyperglycemia effects of gamma-aminobutyric acid from the wild yeast strain *Pichia silvicola* UL6-1 and *Sporobolomyces carnicolor* 402-JB-1. *Mycobiol* 2017;45:199-203.
8. Kim JY, Lee SY, Han SM, Lee JS. Production of anti-dementia acetylcholinesterase from the wild yeasts *Saccharomyces cerevisiae* WJS0113 and *Wickerhamomyces anomalus* JSF0128. *Kor J Mycol* 2018;46:447-57.
9. Moon JE, Heo W, Lee SH, Lee SH, Lee HG, Lee JH, Kim YJ. Trehalose protects the probiotic yeast *Saccharomyces boulardii* against oxidative stress-induced cell death. *J Microbiol Biotechnol* 2020;30:54-61.
10. Kim JS, Lee M, Kim JY, Heo J, Kwon SW, Yun BS, Kim SJ. Distribution and species diversity of wild yeasts isolated from flowers in Korea. *Kor J Mycol* 2020;48:475-84.
11. Min JH, Ryu JJ, Kim HK, Lee JS. Isolation and identification of yeasts from wild flowers in Gyejoksan, Oseosan and Baekamsan of Korea. *Kor J Mycol* 2013;41:47-51.
12. Hyun SH, Mun HY, Lee HB, Kim HK, Lee JS. Isolation of yeasts from wild flowers in Gyonggi-do province and Jeju island in Korea and the production of anti-gout xanthine oxidase inhibitor. *Kor J Microbiol Biotechnol* 2013;41:383-90.
13. Hyun SH, Lee JK, Park WJ, Kim HK, Lee JS. Isolation and diversity of yeasts from fruits and flowers of orchard in Sinam-myeon of Yesan-gun, Chungcheongnam-do, Korea. *Kor J Mycol* 2014;42:21-7.
14. Hyun SH, Min JH, Lee HB, Kim HK, Lee JS. Isolation and diversity of yeasts from wild flowers in Ulleungdo and Yokjido, Korea. *Kor J Mycol* 2014;42:28-33.
15. Hyun SH, Min JH, Kim SA, Lee JS, Kim HK. Yeasts associated with fruits and blossoms collected from Hanbat arboretum, Daejeon, Korea. *Kor J Mycol* 2014;42:178-82.
16. Hyun SH, Han SM, Lee JS. Isolation and physiological functionality of yeasts from wild flowers in Seonyudo of Gogunsanyeoldo, Jeollabuk-do, Korea. *Kor J Mycol* 2014;42:201-6.
17. Han SM, Hyun SH, Lee JS. Isolation and identification of yeasts from wild flowers in Deogyu mountain and their physiological functionalities. *Kor J Mycol* 2015;43:47-52.
18. Han SM, Hyun SH, Lee HB, Lee HW, Kim HK, Lee JS. Isolation and identification of yeasts from wild flowers collected around Jangseong lake in Jeollanam-do, Republic of Korea, and characterization of the unrecorded yeast *Bullera coprosmaensis*. *Mycobiol* 2015;43:266-71.
19. Han SM, Han JW, Bae SM, Park WJ, Lee JS. Isolation and identification of wild yeasts from soils of paddy fields in Daejeon metropolitan city and Chungcheongnam-do, Korea. *Kor J Mycol* 2016;44:1-7.
20. Han SM, Lee JS. Isolation and identification of wild yeasts from soils of an herb park in Seoul metropolitan city and characteristics of unrecorded yeasts. *Kor J Mycol* 2016;44:108-12.
21. Han SM, Lee SY, Kim HK, Lee JS. Characterization of wild yeasts Isolated from leaves obtained from Mt. Daedun and Mt. Chilgap, Korea. *Kor J Mycol* 2017;45:31-42.
22. Han SM, Kim HK, Lee HB, Lee JS. Isolation and identification of wild yeasts from freshwaters and soils of Nakdong and Yeongsan river, Korea, with characterization of two unrecorded yeasts. *Kor J Mycol* 2016;44:350-4.
23. Han SM, Lee SY, Kim HK, Lee JS. Isolation and diversity of wild yeasts from the waters and bank soils of Daejeoncheon, Gapcheon, and Yedeungcheon in Daejeon Metropolitan city, Korea. *Kor J Mycol* 2017;45:259-69.
24. Han SM, Kim JY, Lee HB, Kim HK, Lee JS. Isolation and characterization of wild yeasts from water and riverside soils of Geumgang midstream in Gongju City, Korea. *Kor J Mycol* 2018;46:98-104.

25. Han SM, Park DJ, Kim JY, Lim HJ, Lee HB, Lee JS. Isolation of wild yeasts obtained from waters and soils of riversides in Sangjubo of Nakdong river and Daechung dam of Geumgang midstream, Korea and characterization of unrecorded wild yeasts. Kor J Mycol 2020;48:237-49.
26. Jeon YJ, Park S, Hwang H, Park YH, Cheon W, Goh J, Chung N, Mun HY. Seven yeast strains isolated from freshwaters for the first record in Korea. Kor J Mycol 2020;48:523-31.
27. Park SJ, Jang JE, Lee HB, Lee JS. Isolation of wild yeasts from riversides in Geumgang upstream, Taean and Suncheonman seashores and microbiological characteristics of the unrecorded wild yeasts. Kor J Mycol 2021;49:67-79.
28. Han SM, Lee JS. Characterization of unrecorded yeasts Isolated from leaves of trees of Oknyeobong peak and Yeonjasan mountain in Daejeon, Korea. Kor J Mycol 2017;45:23-30.
29. Han SM, Kim JY, Kim CM, Lee JS. Characteristics of unrecorded wild yeasts obtained from the soil of spices plant fields and its physiological functionality. Kor J Mycol 2019;47:75-81.
30. Kim HK, Kim JY, Han SM, Kim CM, Lee JS. Microbiological characteristics and physiological functionalities of unrecorded wild yeast strains in the soils of Hajodae and Gyungpodae beaches in Korea. Kor J Mycol 2019;47:249-58.
31. Kim JY, Han SM, Park SJ, Jang JE, Lee JS. Isolation and characterization of unrecorded wild yeasts obtained from soils of spice fields and mountains. Kor J Mycol 2020;48:151-60.
32. Park SW. Geometric element relationships for alluvial streams in the Changsun river basins. J Korean Soc Agric Eng 1985;27:49-53.
33. Lee HG, Choi JK. The distribution characteristics of fish community by habitat type in the Nonsan stream. J Wetlands Res. 2014;16:303-13.
34. Suh SO, McHugh JV, Blackwell M. Expansion of the *Candida tanzawaensis* yeast clade: 16 novel *Candida* species from basidiocarp-feeding beetles. Int J Syst Evol Microbiol 2004;54:2409-29.
35. Suh SO, Nguyen NH, Blackwell M. A yeast clade near *Candida kruisii* uncovered: nine novel *Candida* species associated with basidioma-feeding beetles. Mycol Res 2006;110:1379-94.
36. Khan Z, Mokaddas E, Ahmad S, Burhamah MH. Isolation of *Cryptococcus magnus* and *Cryptococcus chernovii* from nasal cavities of pediatric patients with acute lymphoblastic leukemia. Med Mycol 2011;49:439-43.
37. Prior BA, Kilian SG, Du Preez JC. Fermentation of smallcap[~] D-xylose by the yeasts *Candida shehatae* and *Pichia stipitis*. Proc Biochem 1989; 24:21-32.
38. El-Gendy NS, Abidin ZZ, Amr SSA, Nassar HN. Statistical optimization of alginate immobilization process of *Candida stauntonica* strain MY1 for bioethanol production. Int J Curr Microbiol App Sci 2015;4:397-420.