

## 나노입자를 이용한 유전자 진단 기술

이경복(한국기초과학지원연구원 글라이코믹스팀)

### 21세기

최대의 질병인 암이 유전자 변이에 기인한 질병이라는 점을 고려할 때 특정 DNA 서열의 고효율 탐지는 암 연구, 암 진단 및 치료제 효과의 모니터링에 있어 중요한 역할을 담당할 것으로 기대된다. 일반적으로 DNA 마이크로어레이(microarrays)가 돌연변이 유전자 탐지 기술에 있어 유용한 도구이지만, 여러 가지 기술적 제약으로 인해 암 관련 유전자 돌연변이를 효과적으로 빠르고, 간편하게, 저렴한 방법으로 탐지하기 위해서는 새로운 기술의 개발이 요구되고 있다.

최근 Northwestern University 화학과 교수인 Chad

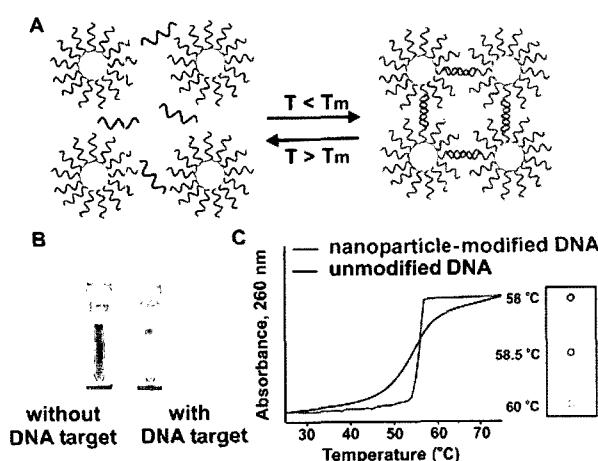
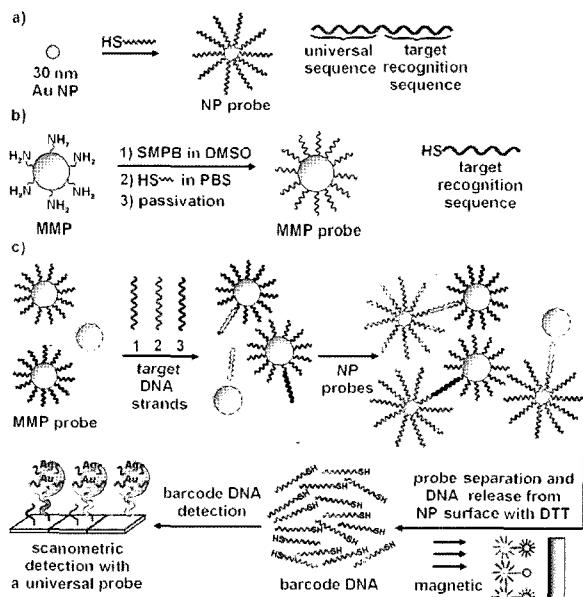


그림 1. (A) DNA가 붙어있는 금 나노입자를 이용한 특정 유전자 검출방법. (B) target DNA와의 반응을 통한 금 나노입자 용액의 색변화(반응 전 빨강, 반응 후 보라). (C) 금 나노입자 용액의 온도에 따른 자외선 흡광도 변화 (R. Elghanian et al. Science 277: 1078 (1997)).

A. Mirkin 연구진은 나노입자를 이용한 바이오바코드를 개발하여 특정 DNA 서열의 고효율 탐지를 위하여 연구를 활발히 진행하고 있다. 예를 들면, 금 나노입자 표면에 두개의 서로 다른 염기서열 DNA를 붙여준 후 이들 두 개의 DNA 서열과 결합할 수 있는 target DNA와 hybridization시켜 나노입자 용액의 색변화를 통한 target DNA을 검출하는 기술을 보고하였다 (그림 1). 본 방법은 염기서열의 mismatch에 기인한 녹는점( $T_m$ ) 변화를 측정하여 single base-pair mismatch와 perfectly matched target oligonucleotide를 구분할 수 있을 뿐만 아니라 빠르고 쉬운 방법으로 값비싼 광학적 장치가 필요하지 않다.

또한 최근 연구진의 결과에 따르면 한 번에 하나의 돌연변이 유전자만을 탐지할 수 있었던 기존의 방식에서 나아가 네 개의 상이한 DNA 서열을 동시에 탐지하고 구별하는 복합 바코드 시스템(multiplexed barcode system)을 개발하였다 (그림 2).

용액 내에 존재하는 서로 다른 네 개의 바이러스 유전자(HVB: hepatitis B virus surface antigen gene, small pox VV: variola virus, EV: ebola virus, HIV: human immunodeficiency virus)를 검출하고자, 금 나노입자와 자성 마이크로입자 표면에 각각의 바이러스 유전자의 일부분과 서로 hybridization이 가능한 염기서열 DNA를 붙여주어 프로브를 제작하였다. 여기서 특이한 점은, 금 나노입자 표면에 존재하는 바코드 DNA로 일부분은 바이러스 유전자와 결합을 하지만 나머지 부분은 일반적 염기서열을 도입하여 탐



**Target DNA strands:**  
HBV: 5'-TTGGCTTTCAGTTAT - ATGGATGATGTGGTA-3'  
VV: 5'-AGTTGAAACGGAAGA - TGCAATAGTAATCAG-3'  
EV: 5'-GGAGTAAATGTTGGA - GAACAGTATCACAA-3'  
HIV: 5'-AGAAGATATTGGAATAA - CATGACCTGGATGCA-3'

**MMP DNA strands:**  
MMP-HBV: 5'-TAACGTAAAGCCAA-A<sub>n</sub>-SH-3'      B-HBV: 5'-HS<sub>n</sub>-PEG<sub>n</sub>-TACCCACATCATCCAT-3'  
MMP-VV: 5'-TCCTCCGTACAATC-A<sub>n</sub>-SH-3'      B-VV: 5'-HS<sub>n</sub>-PEG<sub>n</sub>-CTGATTACTATTGCA-3'  
MMP-EV: 5'-TCCAACATTACTCC-A<sub>n</sub>-SH-3'      B-EV: 5'-HS<sub>n</sub>-PEG<sub>n</sub>-TTGTTGATACTGTTC-3'  
MMP-HIV: 5'-TTATTCCAATATCTTCT-A<sub>n</sub>-SH-3'      B-HIV: 5'-HS<sub>n</sub>-PEG<sub>n</sub>-TGCACTCCAGGTGATG-3'

**Barcode DNA strands:**  
n = TACGAGTTGAGAAC  
PEG<sub>n</sub> = (-OCH<sub>2</sub>CH<sub>2</sub>)<sub>n</sub>

그림 2. DNA 검출용 복합 바이오바코드 시스템. a) 금 나노입자 프로브 제작법. b) 자성 마이크로입자 프로브 제작법. c) 바이오바코드 분석 및 scanometric 검출과정 (S. I. Stoeva et al. Angew. Chem. Int. Ed., 45:3303 (2006)).

지 및 판독기능을 수행하도록 하였다. 금 나노입자 프로브와 자성 마이크로 프로브를 바이러스 유전자와 hybridization 시켜 자석을 이용하여 금 나노입자 프로브를 용액 내에서 분리시킨 후, 금 나노입자 표면에 존재하는 바코드 DNA를 DTT로 처리하여 분리시켰다. 이렇게 분리된 바코드 DNA는 유리 기판에

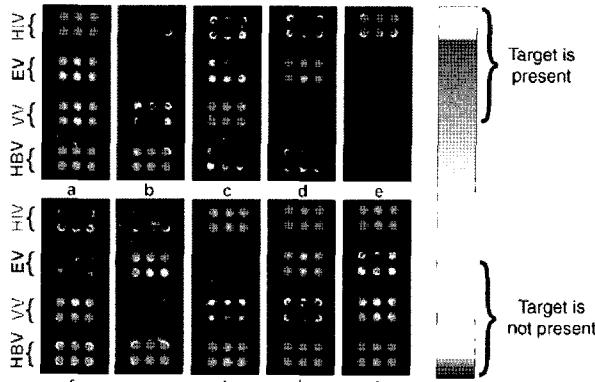


그림 3. 금 나노입자 프로브에서 분리된 바코드 DNA의 검출 사진. a) 모든 target; b) HBV; c) VV; d) EV; e) HIV; f) HBV와 VV; g) HBV와 EV; h) HBV와 HIV; i) HBV, EV, 그리고 HIV; j) HBV, VV, 그리고 HIV 코드 마이크로어레이 유리기판.

미리 준비된 코드 DNA와 hybridization 시켜 검출하였다. 검출한도를 높이고자 바코드 DNA 말단에 존재하는 티올기에 금 나노입자를 결합시킨 후 은을 electroless deposition시켜 신호증폭 효과를 주었다.

연구진은 위 방법을 통하여 바이러스 유전자 혼합물에서 네 개의 바이러스 바코드 DNA 시료를 성공적으로 분리하여 확인할 수 있었다. 실험결과 저 농도의 target DNA를 확인하기 위해서 유전자 증폭 기술(polymerase chain reaction)과 같은 증폭과정 없이도 쉽게 검출이 가능함을 보여주었으며, 수십억 개의 상이한 바이오바코드 서열을 제조할 수 있기 때문에 무수한 유전자 변이의 탐지 및 확인을 위한 분석 시스템으로 확장될 수 있다고 연구진은 밝히고 있다.