

生物學的 脫窒工程에 관한 動力學的研究*

I. 煉製品工場 廢水處理時의 細菌Flora의 變動

申錫雨
麗水水產專門大學 加工科

Dynamic Studies on the Process of the Biological Denitrification

1. Variation of Bacterial Flora in the Waste Water Treatment of Fish Meat Paste Plant

Suk U SHIN

Department of Food Science, National Fisheries Technical College
Yeosu, Korea

This study was attempted to investigate variation of the bacterial flora in waste water treatment of fish meat paste plant by batch and continuous culture.

The results of the experiment are as follows:

1. The removal rate of BOD in waste water treatment by activated sludge of continuous culture was above 90%.
2. In the process of nitric acidification of protein waste water, NH₄-N and NO₂-N increased until the lapse of 48 hours from culture, but NO₃-N showed little change.
3. In activated sludge obtained from acclimation by batch culture for 10 days, bacteria good in capacity of nitric acidification were not appeared.
4. Among 120 strains of isolated bacteria, the most predominantly appeared bacterial flora were *Enterobacteriaceae* (28%) and *Pseudomonas* spp. (25%). In the latter term of aeration during which ammonia originates in abundance, *Pseudomonas* spp. was decreased but *Enterobacteriaceae* was increased.
5. Fifty percent of the isolated strains were able to grow in 0%, 3% NaCl and 75% artificial sea water. Therefore, it is suggested that sea water can be used as dilution water instead of tap water during the treatment of waste water.

緒論

水產物加工工場에서排出되는廢水는水溶性蛋白質이流出되어沿岸海域의污染은물론最近問題되고있는赤潮現象 또는淺海化等을유발하여沿岸養殖業에莫大한지장을초래하고있는實情이다.

現在利用되고 있는水產物處理工場의活性污泥法에依한廢水處理는주로BOD 및 COD의除去를目的으로하는것이므로最終放流水에窒素成分이過量으로存在하여海水에流入됨으로서海域에서의

富營養化現象인赤潮등의發生要因으로지적되고있다.

따라서煉製品工場排水中에溶存하고있는各種의窒素化合物를最終的으로不活性의窒素gas나酸化窒素gas로變換시켜大氣中으로放出시키기위해基本的인窒化工程및脫窒工程에따른微生物의生態系를調查하여最適條件를갖추어蛋白質廢水處理에대처하는것이理想的인廢水處理라思料된다.

水產物加工工場으로부터排出되는廢水處理를위

* 本研究는 1983年度文教部學術研究助成費의支援으로 이루어졌다.

生物學的 脫窒工程에 관한 動力學的研究

한活性汚泥法에 대해서 太宰等¹⁾, 橋永等²⁾, 小野等³⁾, 長田等⁴⁾, 高尾等⁵⁾의 論文에 報告되었으나 窒酸化에 關한 細菌學的研究가 미비한 實情이다.

本研究는 廢水處理에 있어서의 生物學的인 脱窒工程의 mechanism을 究明할 것을 目的으로 하여 일차적으로 蛋白質含量이 높은 煉製品加工工場 廢水에 對해 長時間 飼化시킨 微生物群에 依한 BOD除去와 同時に 窒酸化過程을 調査하고 특히 窒酸化에 따른 細菌學의in 相關關係를 檢討하기 위해 實驗한 것이다.

材料 및 方法

1. 材料廢水 및 實驗裝置

實驗에 使用한 廢水는 煉製品加工 原料魚의 一次

處理後의 機械的인 洗淨水를 Fig. 1에 依한 曝氣槽(가로 350 mm, 세로 200 mm, 높이 350 mm의 아크릴재)를 利用하여 溫度 20°C에서 air pump로 供給하여 曝氣槽混合液의 DO를 2 mg/l로 維持하였다.

2. 廢水의 成分分析

一般成分中 蛋白質은 퀸달법, 脂肪은 Rose-Gottlieb法을 利用測定했고 환원당은 dinitrosalicylic acid에 의한 비색법으로 测定했다.

公害工程試驗은 Jis K 0102의 方法⁶⁾中 溶存酸素은 Winkler法, 鹽素量은 AgNO_3 쳐정법, 全硬度는 EDTA 쳐정법, $\text{NH}_4\text{-N}$ 은 Nessler法, $\text{NO}_2\text{-N}$ 은 Griess-Romijn法, $\text{NO}_3\text{-N}$ 은 Brucin法, n-hexan은 溶出法으로 测定했다.

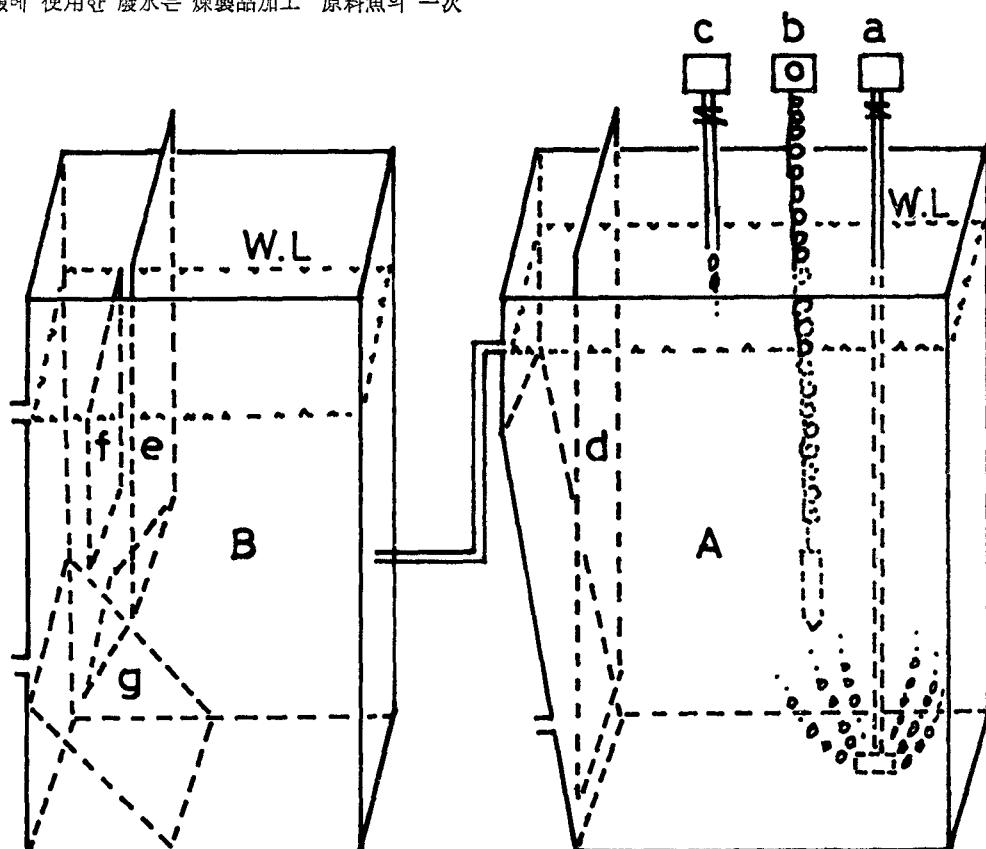


Fig. 1. Diagram of aeration tank (A) and sediment tank (B) used for experiment

a: aeration equipment

b: water temperature guage

c: chemical pump

d, e, f and g: acril plates for precipitating effectively or preventing over flow blowhole

Gram negative rods

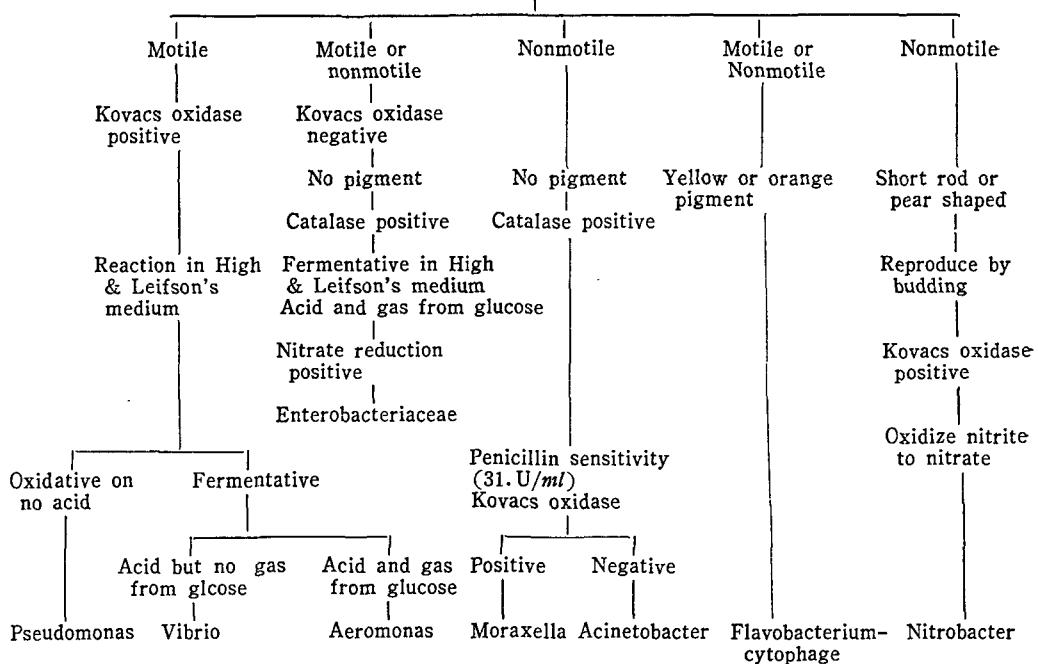


Fig. 2. A scheme for the identification of gram negative rod bacteria isolated from waste water treatment of fish meat paste

3. 細菌數의 测定分離 및 同定

生菌數 测定은 標準寒天平板培地 (polypeptone 5g, yeast extract (Difco) 2.5g, glucose 1g, agar 20g, meat extract 2.5g, NaCl 5g, distilled water 1000 ml, pH 7.0)에 供試水를 原液으로 하여 10倍段階稀釋하여 그 0.1 ml를 塗沫해서 25°C에서 5日間培養해서 菌數測定을 行였고, 大腸菌群數는 desoxycholate 培地를 利用하여 35°C에서 24~48시간 培養하여 测定했다.

分離菌의 生化學的 試驗은 生菌數 测定用 各 平板의 集落으로부터 菌株를 分離해서 鹽分要永性 菌株에 대해서 3%, 鹽分非要永性 菌株는 0.5%, 試驗培地에 加해서 行였고 運動性은 SIM 배지, cytochrom oxidase는 Kovacs 法⁷⁾, glucose 分解能은 非好鹽性 菌株에 對해서는 Hugh and Leifson 法⁸⁾, 好鹽性 菌株에 對해서는 Leifson⁹⁾의 MOF 培地를 利用하여 調査했다.

penicillin 感受性 試驗은 Corlet 等¹⁰⁾이 採用한 培地 (peptone 0.5%, tryptone (Difco) 0.25%, yeast extract 0.5%, glucose 1%, agar 2%, DW 1000 ml, pH 7.0)를 基礎培地로 하여 여기에 penicillin GK 鹽

31 U/ml 加한 것을 利用했고 非水溶性 黃色色素試驗은 0.5%, 食鹽加 milk 寒天平板培地 (polypeptone 10g, meat extract 5g, skim milk (Difco) 30g, distilled water 1,000 ml, pH 7.0)에 培養하여 觀察했다. catalase 및 질산, 아질산 生成 試驗은 manual of microbiological method¹¹⁾의 記載한 方法에 依해 試驗했다.

分離菌中 *Pseudomonas*, *Vibrio*, *Flavobacterium-Cytophaga*에 對해서는 Shwan 等¹²⁾, *Moraxella*와 *Acinetobacter*는 Baumann 等^{13), 14)}, 그 외의 菌株에 對해서는 Bergey 法¹⁵⁾에 基礎를 둔 Fig. 2에 表示한 순서에 따라 同定했다.

結果 및 考察

1. 回分培養

Table 1과 같은 特性을 갖는 二種類 (file fish, Hair tail)의 煉製品 加工工場廢水를 20°C에서 48시간 回分培養했을 때의 BOD, COD, N-compounds ($\text{NH}_4\text{-N}$, $\text{NO}_2\text{-N}$, $\text{NO}_3\text{-N}$) 및 一般成分의 經時變化를 Fig. 3 (hairtail), Fig. 4 (filefish)에 각각 나타냈다.

Table 1. Analytical values of fish meat paste waste water (unit: ppm)

Assay	Analytical values	
	Hairtail	Filefish
COD	540	1,600
BOD	1,380	3,840
SS	1,528	24,216
NH ₄ -N	24	56
NO ₂ -N	1.4	16.0
NO ₃ -N	1.2	7.5
n-Hexane	147	1,985
Cl ⁻	60	620
Protein	1,100	14,100
Fat	147	7
Reducing sugar	67	85
Alkalinity	60	198

原廢水成分은 쥐치에 있어서 BOD가 3,840 ppm, SS가 24,216 ppm, 蛋白質이 14,000 ppm으로 칼치廢水의 BOD 1,380 ppm, SS 1,528 ppm, 蛋白質 1,100 ppm 보다 高濃度의 有機物이 含有되어 있어 魚種에 따른 차이가 많은 것을 알 수 있었고, 林^[16]이 練製品加工工場의 總合排水를 測定한 結果 보다 全般的으로 높은 경향을 나타내었는데 이는 練製品原料洗滌工程中의 機械的인 洗淨廢水때문일 것으로 생각된다.

칼치를 原料로 한 練製品廢水의 경우 Fig. 3에서 볼 수 있는 것처럼 BOD 및 COD 除去率은 각각 76%, 48%로 나타났고, Fig. 4에서와 같이 쥐치를 原料로 한 練製品廢水의 경우는 BOD 및 COD 除去率이 각각 89%, 73%로 저조한 경향을 나타내었고 pH는 칼치廢水에 있어서 6.9에서 7.8, 쥐치廢水에 있어서는 7.2에서 8.0이었다.

한편 蛋白質로부터의 NH₄-N의 生成은 현저한 增加를 나타내고 있으나 生成된 NH₄-N로부터 NO₂-N 및 NO₃-N으로의 亞酸化過程에 대해서는 別變動이 보이지 않았다.

이를 結果는 高尾等^[5]이 市販고래 및 다랑어肉을 原料로 한 蛋白質廢水를 處理하기 위해 原料廢水中에 含有되어 있는 細菌을 長時間 培養하여 回分實驗한 것에 비해 比較的 낮은 處理効率을 보여주고 있다. 이러한 현상은 練製品加工廢水와 같은 蛋白質이 풍부한 廉水의 處理効率을 높이기 위해서는 脱塗되기 까지의 各過程에 對하여 分解能力이 우수한 細菌이 存在해야 된다는 것을 意味한 것이지만, 本 實驗에서는 原廢水에 含有되어 있는 細菌을 數日間 曝氣培養해서 얻은 活性汚泥 가운데는 NH₄-N로부터 亞酸

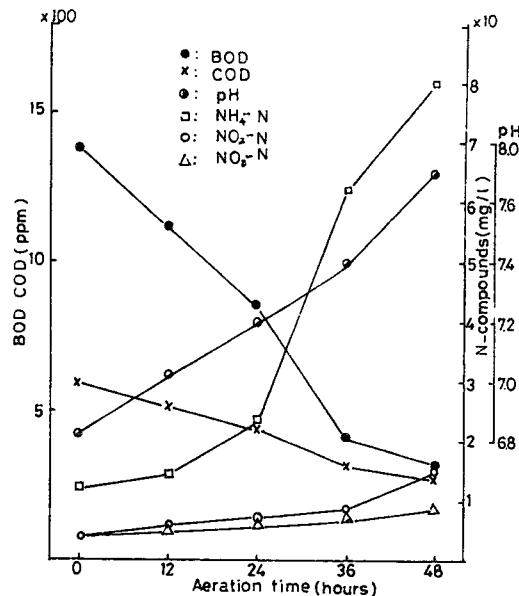


Fig. 3. Time course of BOD, COD and nitrogen compounds according to waste water treatment of fish meat paste used hairtail in batch culture

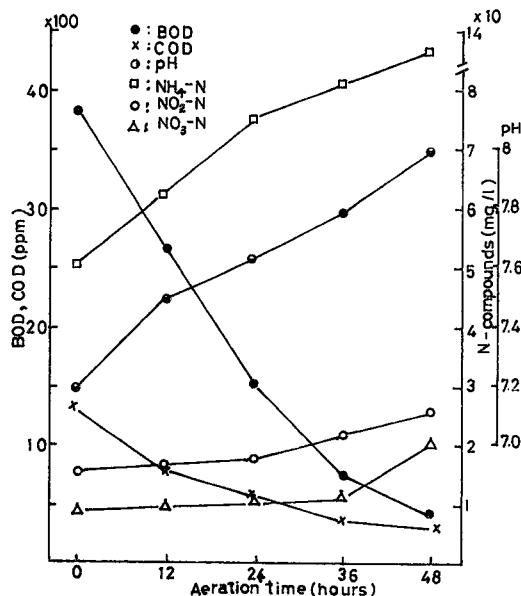


Fig. 4. Time course of BOD, COD and nitrogen compounds according to waste water treatment of fish meat paste used filefish in batch culture

化過程에 이르는 分解能이 優秀한 菌은 없는 것으로 생각된다.

2. 連續培養

原廢水의 流入水量 8,640 ml/day, BOD 2,638 ppm, COD 1,600 ppm 下에서 回分培養에서 10 日 創養하여 얻은 活性스.Cmd지를 이용하여 溫度 20°C에서 72 時間 曝氣하면서 1 日 1 回 測定한 廢水處理 結果를 Fig. 5에 表示하였다.

曝氣 24 시간 후 流入水의 BOD 2,638 ppm에서 流出水의 BOD 137 ppm 으로 95% 的 除去率을 나타냈고 72 시간까지 공히 비슷한 경향을 보여 주었다.

COD는 流入水 1,600 ppm에서 24 시간 후 370 ppm 으로 除去率 76%로 時間이 경과함에 따라 上승하여 72 시간째에는 90% 除去되었다.

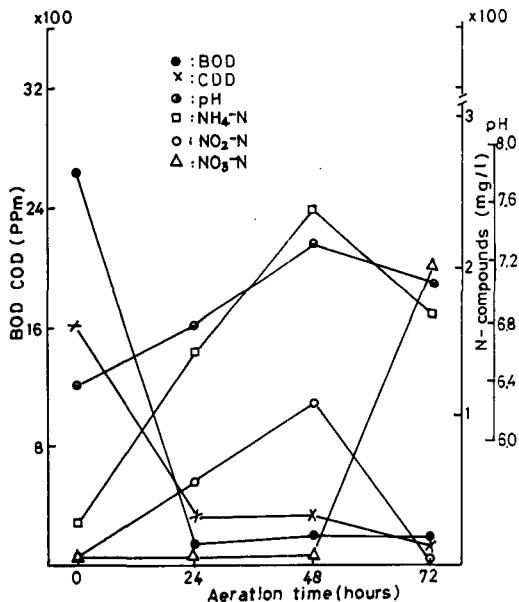


Fig. 5. Time course of BOD, COD and nitrogen compounds according to waste water treatment of fish meat paste used file fish in continuous culture

$\text{NH}_4\text{-N}$ 와 $\text{NO}_2\text{-N}$ 는 原廢水中에 각각 24 mg/l, 1.4 mg/l 였던 것이 48 시간 후에는 $\text{NH}_4\text{-N}$ 가 240 mg/l, $\text{ND}_2\text{-N}$ 은 110 mg/l로 급격히 上승하였으나 $\text{NO}_3\text{-N}$ 은 別變動이 없는 것으로 나타났다. 이는 原廢水中에 回分培養에서와 같이 $\text{NO}_2\text{-N}$ 에서 $\text{NO}_3\text{-N}$ 로 轉換하는 微生物의 能力은 미약한 것으로 생각된다.

따라서 위와 같은 事實을 밝히기 위하여 豆科植物根, 土壤, 下水로부터 수집한 試料를 液體培地에서 増菌시켜 48 時間째에 첨가하였던 結果 $\text{NO}_3\text{-N}$ 가 接種 24 시간(Fig. 5에서 72 시간) 후에는 급격히 上승한 반면에 $\text{NH}_4\text{-N}$ 와 $\text{NO}_2\text{-N}$ 은 감소하는 경향을 나타내었다. 이는 接種한 細菌 가운데 壓酸化에 영향을 미치는 細菌이 존재한 것으로 생각되며, 原廢水中에는 壓酸化 ability이 優秀한 菌은 없는 것으로 確認되며, 적어도 蛋白質 廢水處理에 關한 限 優秀한 脫窒菌의 人爲的인 첨가가 重要한 過程임을 알 수 있었다.

3. 廢水中의 細菌數의 變動

煉製品廢水의 曝氣時間에 따른 細菌數의 變動을 Table 2에 나타내었다.

一般細菌數는 原料廢水에서 試料에 關係없이 $7.2 \times 10^4 \sim 1.9 \times 10^5$ 이었고, 曝氣時間의 경과에 따라 上승하여 48시간에는 $2.4 \times 10^7 \sim 3.8 \times 10^7$ 으로 最高菌數에 달했고, 曝氣 72시간째에는 $4.2 \times 10^6 \sim 4.4 \times 10^6$ 으로 감소하였으나 連續培養系에서는 變化가 없었다.

大腸菌群數는 原廢水에서 $1.2 \times 10^2 \sim 1.9 \times 10^5$ 으로 回分培養에서는 24 시간 經過했을 때 $7.9 \times 10^5 \sim 8.2 \times 10^5$ 으로 最高菌數에 달했고 連續培養에서는 曝氣時間에 따라 增加하여 36시간째에 3.8×10^5 으로 그 이후에는 別變動이 없었다.

回分培養이나 連續培養時 BOD는 24시간내에 除去率이 良好한 것으로 보아 細菌數가 $10^4 \sim 10^7$ 정도로 BOD 除去能이 있다는 것을 알 수 있고, 回分培養

Table 2. Bacterial and coliform counts according to aeration time in waste water treatment of fish meat paste plant by activated sludge

Fenmentation type	Bacterial sp.		Aeration time (hour)					
			0	12	24	36	48	72
Batch culture	Hairtail	bacterial count/ml	7.2×10^4	6.0×10^5	2.4×10^7	2.0×10^7	2.7×10^7	4.4×10^6
		coliform count/ml	1.2×10^2	1.0×10^4	7.9×10^5	1.2×10^5	1.8×10^4	2.4×10^3
	Filefish	bacterial count/ml	8.0×10^5	3.2×10^6	1.1×10^7	3.0×10^7	2.4×10^7	4.2×10^6
		coliform count/ml	1.5×10^2	2.1×10^4	8.2×10^5	2.0×10^5	1.6×10^5	3.5×10^5
Coutinuous culture	Filefish	bacterial count/ml	1.9×10^5	2.2×10^6	2.5×10^7	3.6×10^7	3.8×10^7	1.3×10^7
		coliform count/ml	2.0×10^2	4.3×10^4	3.8×10^5	2.7×10^5	2.8×10^5	4.4×10^5

生物學的 脫窒工程에 관한 動力學的研究

에서는 曝氣時間의 經過에 따라서 健養素의 減少 및 新陳代謝物의 蓄積 等으로 淘汰되고 그 環境에 適合한 菌이 選擇되어 細菌 flora를 形成하는 것으로 蛋白質廢水에서는 암모니아 分解菌에서 아질산 分解菌으로, 아질산 分解菌에서 질산 分解菌으로 移行해 간다는 것을 推定할 수 있고 回分培養을 通해서 物質分解過程中의 目的菌을 찾는 方法을 提供해 주는 것으로 廢水處理 實驗이나 實際에 있어서 先行되어야 할 工程이라 생각된다.

3. 分離菌의 同定 및 曝氣時間에 따른 細菌의 變動

煉製品廢水로부터 分離한 120菌株에 對해 Fig. 2에 依해 同定한 結果를 Table. 3에 나타내었다.

同定菌은 *Pseudomonas*, *Vibrio*, *Acinetobacter*, *Moraxella*, *Aeromonas*, *Enterobacteriaceae*, *Flavobacterium cytophaga*, *Nitrobacter* 등으로 回分 및 連續培養에서 *Pseudomonas*가 34菌株로 28%로 曝氣初期에 出現率이 높다가 曝氣後期에는 減少하는 경향을 나타내었다.

*Enterobacteriaceae*는 25%를 차지하여 *Aeromonas*와 함께 曝氣後期에 많이 나타나 이 두 菌種이 主體

菌이 되었다.

*Enterobacteriaceae*와 *Aeromonas*는 다같이 glucose를 好氣, 嫌氣狀態下에서 王成하게 分解하여 gas를 發生하는 菌으로 이들이 有機物分解가 활발하게 일어나는 즉 아질산, 질산 등이 多量生產되는 曝氣後期에 出現率이 特別히 높은 것으로 보아 廢水處理에 있어서 그 環境이 微生物의 選擇性를 決定하는 重要的要因으로 可能한 廢水特性에 따라 여러 區劃으로 나누어 培養하는 것이 効率的인 廢水處理라 사료된다.

*Nitrobacter*가 曝氣 72時間째에 갑자기 出現한 것은 앞에서도 許及한 바와 같이 脱窒酸이 不良하여 豆科植物, 土壤, 下水 등을 試料로 하여 이一定量을 液體培地에 增菌시켜 添加한 것으로 同定時 *Nitrobacter*로 確認되었고 이菌으로 하여 連續培養 72시간째에 窒酸이 급격히 增加한 것으로 생각된다.

4. 分離菌의 好鹽性 實驗

分離한 120菌株에 對한 好鹽性을 實驗한 結果를 Table 4에 表示하였다.

分離한 120菌株中 食鹽濃度 0%에서 生長할 수 있는 菌은 91菌株로 75%를 차지하였고, 0%, 3%

Table 3. Distribution of organisms isolated from waste water treatment of fish meat paste plant by activated sludge

Genus	Aeration time	Fermentation type				Batch culture				Continuous culture		Total	Percentage
		Sample				Haitail		Filefish		Filefish			
		0	24	36	48	0	24	160	240	0	72		
<i>Pseudomonas</i>	6	7	1	4	8	4	0	0	3	1	34	28	
<i>Vibrio</i>	0	0	1	2	0	1	0	0	0	1	5	4	
<i>Acinetobacter</i>	1	2	1	0	0	0	0	2	3	0	9	7	
<i>Moraxella</i>	2	1	2	0	0	0	0	0	1	0	6	5	
<i>Aeromonas</i>	0	0	0	1	0	0	0	0	1	9	11	9	
<i>Enterobacteriaceae</i>	1	0	3	3	0	4	7	5	1	6	30	25	
<i>Flavobacterium cytophage</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	6	2	8	8	
<i>Nitrobacter</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	6	5	
Not determined	0	0	2	0	2	1	0	3	3	0	11	9	
No. of strains		40				37				43		120	100

Table 4. Salt tolerance of 120 strains isolated from waste water treatment of fish meat paste plant

Concentration of NaCl(%)	0	3	75*	grown at 0 & 3, not at 75	grown at 0 & 75, not at 3	grown at 3 & 75, not at 0	grown at 0, 3 & 75
No. of strains	91	74	82	2	4	8	60
Ratio to 120 strains(%)	75	62	68	0.2	0.3	0.6	50

*concentration (%) of artificial sea water

申 錫 雨

NaCl, 75% ASW 全濃度에서 同時に 生育할 수 있는 菌은 60 株로 分離菌의 50% 로 나타났고 75% ASW 에서만 生育할 수 있는 海水由來菌은 68%로 나타났다.

3% NaCl, 75% ASW 에서 生育할 수 있는 好鹽性菌은 각각 62, 68%로 나타난 것으로 보아 魚類를 利用한 飼料廢水와 같은 濃厚한 蛋白質廢水에 稀釋水로서 海水의 利用이 可能함을 알 수 있었다.

특히 脱窒酸菌인 *Nitrobacter* 는 0%, 3% NaCl, 75% ASW 全濃度에서 生育可能한 것으로 나타났다.

要 約

蛋白質廢水處理時의 細菌學的 變動을 調査하기 위해 煉製品加工工場 廢水中 機械의in 洗淨水를 試料로 하여 回分 및 連續培養을 行하여 얻은 結果는 다음과 같다.

1. 活性스럿지에 依한 煉製品廢水處理에서의 BOD 및 COD 除去率은 모두 90% 이상으로 良好한 結果를 얻었다.

2. 蛋白質廢水의 壓酸化過程에서 NH₄-N 와 NO₂-N 은 48 시간까지 계속 增加하는 경향을 나타냈으나 NO₃-N 는 별 변동이 없었다.

3. 原料廢水中의 細菌을 回分培養에서 10 日間 飼養해서 얻은 活性스럿지 가운데는 壓酸化能의 優秀한 菌은 나타나지 않았다.

4. 分離菌 120 菌株 가운데서 *Enterobacteriaceae* 가 25%, *Pseudomonas* 가 23%로 이 二屬이 優占種이었고 암모니아가 多量生産되는 曝氣後期에는 *Pseudomonas* 는 감소하는 경향을 보였고 *Enterobacteriaceae* 와 *Aeromonas* 가 出現率이 높았다.

5. 鹽分要求性은 120 菌株中 50% 가 0%, 3% NaCl, 75% ASW 的 食鹽濃度下에서 生育可能한 菌이었음으로 濃厚한 蛋白質廢水의 複合수로 海水를 利用할 수 있다는 것을 알 수 있었다.

文 獻

- 太宰宇宙郎・小川誠・御園光信. 1968. 活性スラッジによる産業廢水の處理に関する研究(第18報). 魚肉ねり製品廢水の處理について. 工業技術院發研報 34, 11-18.
- 橋永忠志・太宰宇宙郎・御園光信. 1970. 活性スラッジによる産業廢水の處理に関する研究(第20報).

蒲ぼこ加工廢水の處理について. 工業技術院微工研究報 38, 61-70.

- 小野英男. 1972. 水產加工廢水の處理, 用水と廢水 14, 669-676.
- 長田美治・鳥谷部憲男・大島浩. 1976. 水產加工排水處理の試驗. (第2報) 生物學處理について. 北水試月報 33(8), 1-13.
- 高尾彰一・佐々木博・森田壯平・秋田谷宣之. 1978. 低溫下における廢水處理の微生物學的研究. (第3報) 蛋白系廢水處理のための低溫馴養活性汚泥について. 北大農邦文紀 11, 102-109.
- 日本工業標準調査會. 1978. 日本工業規格工業排水試驗方法 JIS K0102 1-47.
- Kovacs, N. 1956. Identification of *Pseudomonas Pyocyanea* by the oxidase reaction. Nature 178-703.
- Hugh, R., and Leifson, E. 1953. The taxonomic significance of fermentative *vealus* oxidative metabolism of carbohydrates by various gram negative bacteria. J. Bact. 66, 24-26.
- Leitson, E. 1963. ibid. 85, 1183.
- Corlett, D. A., T. S. Lee, and R. O. Sinnhuber. 1965. Application of replica plating and computer analysis for rapid identification of bacteria in some foods. 1. Identification scheme. Appl. Microbiol. 13, 808-817.
- Manual of Microbiological Methods. 1957. McGraw-Hill. London 26.
- T. M. Shewan, G. Hobbs and W. Hodgkiss. 1960. A determinative scheme for the identification of certain genera of gram negative bacteria with special reference to the *Pseudomonadaceae*, J. appl. Bact. 23, 379-390.
- P. Baumann, M. doudoroff and R. Y. Stanier. 1968. A study of the *Moraxella* group. I. genus *Moraxella* and *neissera catarrhalis* group, J. Bact. 95, 58.
- P. Baumann, M. doudoroff and R. Y. Stanier. 1968. A study of the *Moraxella* group, II. oxidative negative species (genus: *Acinetobacter*). J. Bact. 95, 1520.
- 林一將. 1974. 蒲ぼこ工場の廢水處理. 食品と科學 16(2), 116-120.