

Amino acid Thiohydantoin 誘導體의 質量分析 (第 II 報)

宋 庚 德

朝鮮大學校 師範大學 家政教育學科

Mass Spectrometric Identification of Thiohydantoins Derived from Amino Acids (II)

Kyung-Duck Song

Department of Home Economics, Teachers College, Cho sun University

Abstract

The method of amino acid sequence determination from the C-terminal amino acid is proposed and mass spectrometric identification of thiohydantoins described previously.

In this paper was discussed the fragmentation of thiohydantoin-ring by deutero substitution and model tripeptide have been degraded through three stages each, with interpretable results. The conditions employed in this method are mild enough for biological materials.

The main features of the method are the following.

1. Thiohydantoins were formed in a non-aqueous medium a mixture of acetic anhydride, acetic acid and ammonium thiocyanate.
2. Mass spectra of thiohydantoins derived from 20 amino acids were obtained with a mass spectrometer, JEOL model JMS-06H.
3. Cleavage of peptidyl thiohydantoin was made with an acidic form of a cation-exchange resin. (Amberlite IR-120)
4. Separation of the cleaved thiohydantoin and the parent peptide less one amino acid moiety was made by chromatography on a Sephadex G-10 column.
5. The peptide fraction was concentrated by freezedrying.
6. Thiohydantoin derivative of carboxyl terminal amino acid residue was introduced with a direct inlet probe in methanol solution.

緒 論

第 1 報에서는 標準試料의 製造·確認 및 이들 誘導體의 質量分析 결과 解裂樣式에 대한 所見에 대하여 論하였다.

本稿에서는 이들 誘導體가 共通으로 가지고 있는 thiohydantoin 環이 어떠한 解裂樣式을 나타내는가를

檢討함과 동시에, model peptide 를 사용한 C 末端으로부터의 逐次分析結果에 대하여 報告하고자 한다.

解裂은 側鎖의 종류에 따라 差異가 있을 것을 예상하여 glycine, alanine, valine, α -amino butyric acid의 thiohydantoin 誘導體에 대하여 檢討하였다. 手段으로서는 重水素置換에 의한 解裂樣式의 變化 및 高分解能 質量分析器를 이용하였다.

Table 1. Results of Carboxyl-Terminal Degradations with Peptides and Proteins of Known Structure.

Peptide or Protein	Residues Identified as Carboxyl Terminal	Method
Oxidized phenylalanyl chain, bovine insulin a, g)	ala (1), lys (2)	
Tryptic peptide, residues 1-22 of the oxidized phenylalanine chain	arg (1) ^a , glu (2) ^a , gly (3) ^a , cySO ₃ H (4) ^g , val (5) ^g , leu (6) ^g	消去法
Residues 1-16 of the oxidized phenyl alanine chain, g)	try (1), leu (2), ala (3), glu (4)	消去法
Oxidized glycyl chain, insulin, g)	asn (1), cySO ₃ H (2), tyr (3)	
Bovine pancreatic ribonuclease A	val (1) ^b , ser (2) ^h , ala (3) ^h	h) : TLC g) : 消去法
Sperm whale myoglobin, c)	gly (1)	
Hen's egg white lysozyme, d)	leu (1)	酵素法
Porcine glucagon	thr (1) ^e , asn (2) ^g , met (3) ^g	消去法
E. coli aspartate transcarbamylase catalytic subunit f)	leu (1)	酵素法
E. coli aspartate transcarbamylase regulatory subunit f)	asn (1)	酵素法
Glutathione, i)	gly (1)	

a) 1956 (1) b) 1963 (2) c) 1965 (3) d) 1963 (4) e) 1957 (5) f) 1965 (6) g) 1968 (7)
h) 1971 (8) i) 1930 (9)

C末端으로부터 逐次分析에 의하여 알려져 있는 C末端 残基는 Table 1과 같다. Thiohydantoin法에 의한 逐次反應의 原理는 Fig. 1에 나타낸 바와 같으며 C末端 amino acid에 形成되어져 있는 thiohydantoin誘導體의 切斷은 緩和한 切斷條件으로 提案된 山下의 方法을 導入하여 amberlite IR-120을 使用하였다. 樹脂에 의한 切斷反應은 Collins⁽¹⁰⁾에 의하여 提案된 이온 交換樹脂의 存在下에서 1-benzoyl-1, 2-dihydroquinaldic amide가 1-benzoyl-1, 2-dihydroquinaldic acid로 되어 選擇的으로 amide結合이 切斷되는 反應을 이용한 것이다.

Model peptide로서는 tripeptide인 phenylalanyl glycylalanine을 製造하여 사용하였으며 切斷된 thiohydantoin誘導體를 分離할 경우에는 sephadex G-10의 column을 사용하였다. 溶離液을 濃縮하여 methanol 溶液으로 質量分析器에 直接導入하여 얻어지는 mass spectrum의 결과를 解析하여 標準試料와 比較検討하였다.

Fig. 1.
THIOHYDANTOIN METHOD

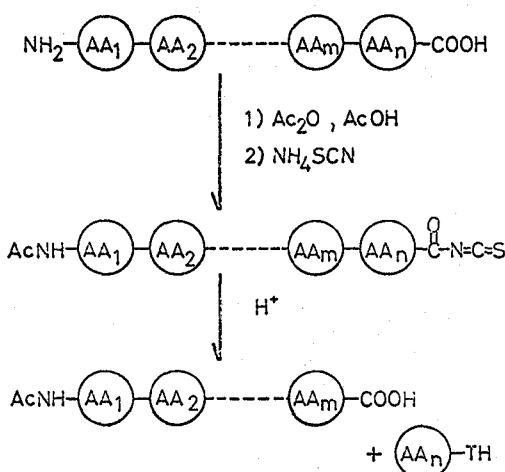
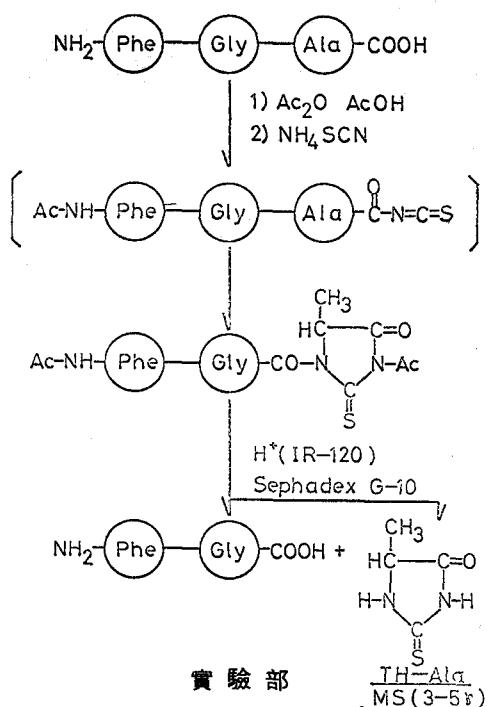


Fig. 2.

Modification of TH Method



1. 重水素置換體의 mass spectrum 의 测定

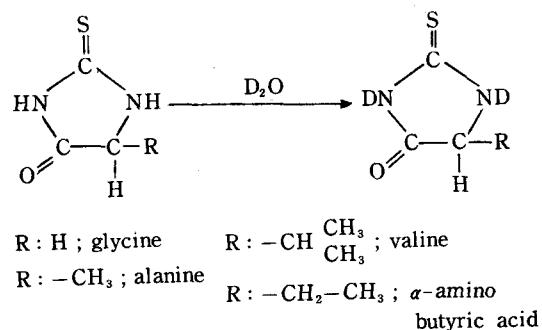


Fig. 3. Substitution with deutero water

(1) 材料 : TH-glycine, TH-alanine, TH-valine 은 第 1 報에서 製造한 것을 사용하였다.

5-ethyl-2-thiohydantoin은 α -amino butyric acid 를 사용하여 常法에 따라 製造하였다.

DTH-glycine, DTH-alanine, DTH-valine, 5-ethyl DTH는 元來의 重水로서 2回 再結晶하여 製造하였다.

(2) 機械 : 質量分析器 ; JEOLCO JMS-06H, 高能 質量分析器 ; JEOLCO JMS-01SG-2

(3) 測定條件 : 第 1 報와 同一

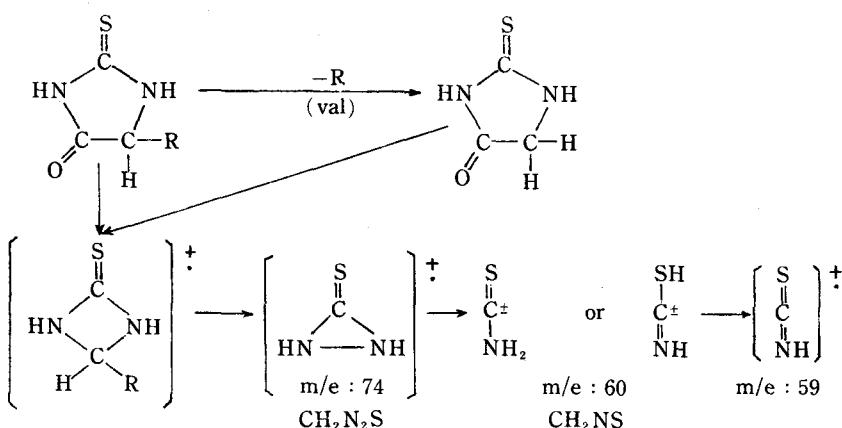


Fig. 4. Fragmentation of thiohydantoin-ring

Table 2. Identification of fragment peaks by deutero substitution

Chart No.		glycine	116	117	118	88	89	90	59	60	61	62	ex. %
MT-1	TH-gly	[100]		5	5	17	4	6	18	24	—	—	
DMT-1	DTH-gly	9	37	[100]		5	13	31	92	42	24	38	54.7
Chart No.		alanine	130	131	132	102	103	104	59	60	61	62	ex. %
MT-2	TH-ala	[100]		8	7	21	—	4	18	27	7	—	
DMT-2	DTH-ala	7	41	[100]		4	16	40	17	61	33	43	66.8
Chart No.		valine	158	159	160	116	117	118	59	60	61	62	ex. %
MT-3	TH-val	[64]		8	4	100	9	6	10	20	—	—	
DMT-3	DTH-val	12	42	[55]		26	90	100	13	29	27	23	50.5
Chart No.		α -a b a	144	145	146	116	117	118	59	60	61	62	ex. %
MT-22	5 Et-TH	[80]		6	5	46	4	3	49	10	3	—	
DMT-22	5 Et-DTH	5	31	[95]		11	38	36	13	39	37	47	69.1

 α -a b a : α -amino butyric acid

□ : Percentage of molecular peak

2. Model tripeptide의 逐次切斷反應

(1) 材料 : phenylalanyl glycyl alanine^(11·12·13) 通常化學合成에 의하여 製造함.

樹脂 : sephadex G-10 (分離用)

amberlite IR-120 (切斷用 : 活性化)⁽¹⁴⁾

Column : 1.0 cm×13 cm

溶離液 : 50% CH₃COOH

(2) 實驗 : phenylalanyl glycyl alanine 6 mg (20 μ mole)에 초산 0.1 ml, 無水 초산 0.9 ml 및 NH₄SCN 50 mg을 加하여 40°C의 水浴上에서 4時間동안 搅拌하여 反應시켰다. 減壓濃縮後 물 2 ml와 amberlite IR-120⁽⁸⁾ 酸性樹脂 4 g을 加하여 40°C의 水浴上에서 3時間 정도 搅拌하여 다시 減壓濃縮시켰다. 殘渣에 50% 초산을 加하여 全量을 10 ml로 하여 그 中 0.5 ml (1 μ mole)를 取하여 1 ml/15 min의 流速으로서 column chromatography를 行했다. 各 fraction은 1 ml 씩 18 fraction 까지 取하였다.

各 fraction에 대하여 薄間 chromatography에 의한 紫外線吸收 spectrum 陽性의 C末端 alanine thiohydantoin의 fraction만을 濃縮하여 methanol 0.2 ml에 溶解시켜 質量分析器에 導入하였다. Peptide 呈色

試藥인 BHC(tert-butyl hypochloride)⁽¹⁵⁾陽性인 fraction은 凍結乾燥에 의하여 濃縮하여 다음의 逐次反應에 계속 사용하였다.

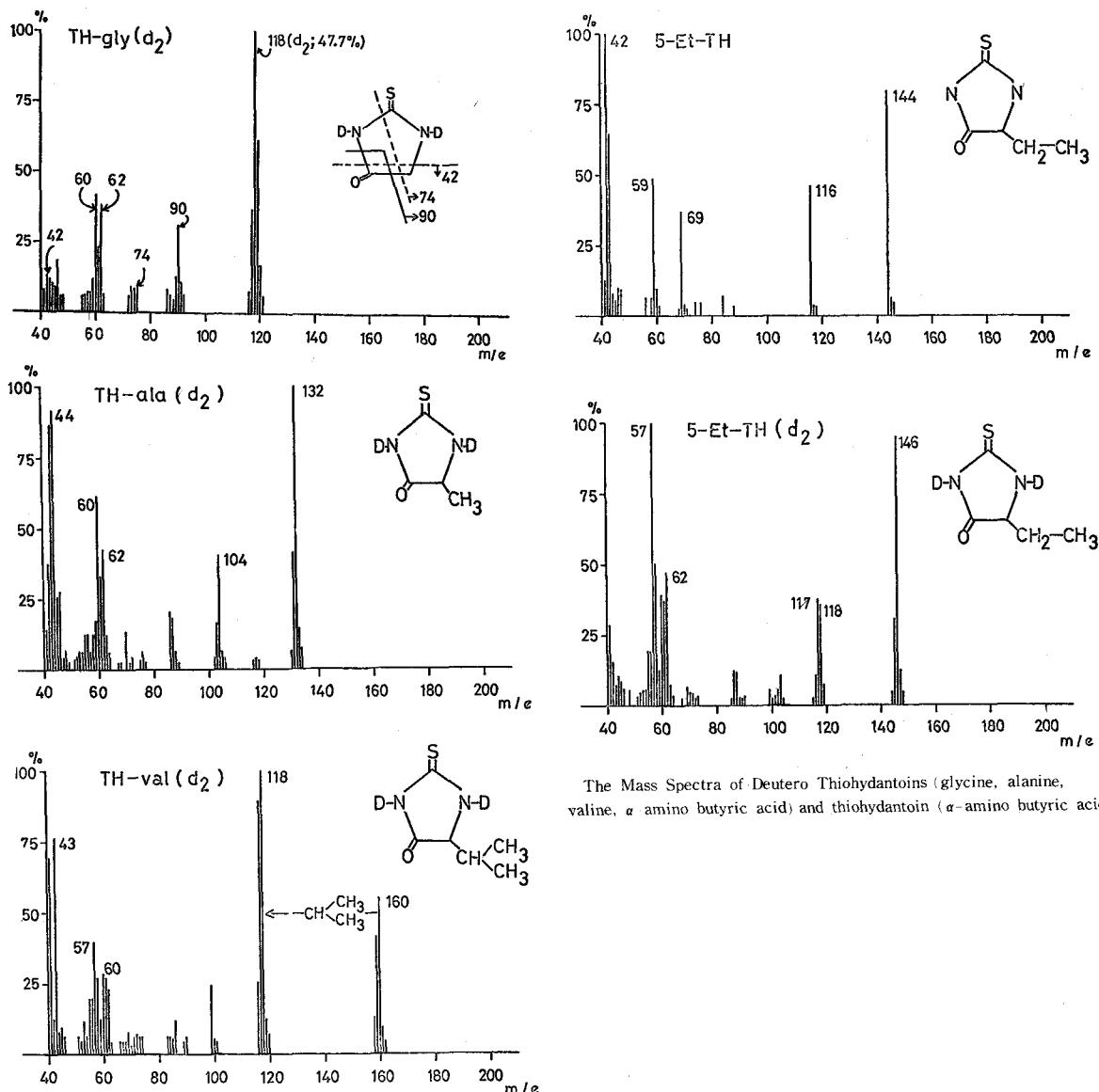
새로운 C 末端으로서 나타나 있는 glycine에 대하여前述한 바와 동일한 操作의 반복에 의하여 切斷하여 最後의 phenylalanine 까지 逐次反應을 施行하였다.

結 果

(1) 重水素 置換에 의하여 Fig. 3과 같이 thiohydantoin環의 imino型의 水素가 重水素로서 置換되어진다고 推測되었다. 따라서 分子이온 peak를 비롯해서 解裂에 따르는 각各의 fragment peak에도 變化가 나타났다. 주된 변화는 Table 2와 같다.

(2) TH-alanine과 TH-valine에 대하여 高分解能質量分析器에 의한 測定結果는 Table 3과 같다.

(3) Phenylalanyl glycyl alanine의 逐次切斷反應의 결과, 각段階마다 分離되어진 thiohydantoin amino acid의 薄間 chromatography는 다음 Fig. 5와 같다. 또 이들의 methanol 溶液을 直接 導入法에 의하여 測定한 質量分析結果는 fraction (1), (2), (3)이 나타내는 mass spectrum과 같다.



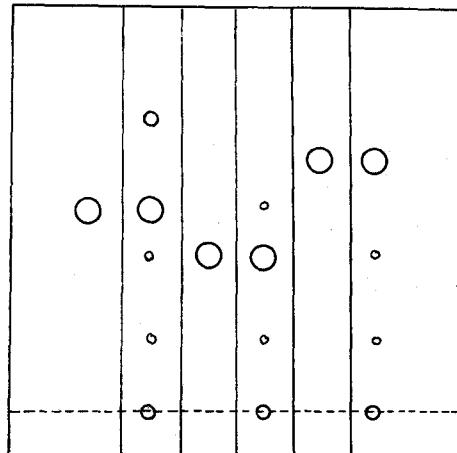
The Mass Spectra of Deutero Thiohydantoins (glycine, alanine, valine, α -amino butyric acid) and thiohydantoin (α -amino butyric acid)

Table 3. High mass spectrometry of TH-alanine, TH-valine

TH-alanine							
OBS'D.	CALCD.	ERROR.	Cl_2	Cl_3	H	N	O S
59.9909	.9907	+ 0.1	1	0	2	1	0 1
60.9984	.9986	- 0.1	1	0	3	1	0 1
61.9882	.9826	+ 5.5	1	0	2	0	1 1
86.0081	.0064	+ 1.7	3	0	4	1	0 1
102.0263	.0251	+ 1.1	3	0	6	2	0 1
115.9995	.0044	- 4.8	3	0	4	2	1 1
130.0188	.0200	- 1.2	4	0	6	2	1 1

TH-valine

OBSD.	CALCD.	ERROR.	Cl ₂	Cl ₃	H	N	OSS	
56.0092	.0136	- 4.3	2	0	2	1	1	0
57.0170	.0214	- 4.3	2	0	3	1	1	0
59.9911	.9907	+ 0.3	1	0	2	1	0	1
60.9986	.9986	+ 0.0	1	0	3	1	0	1
73.9996	.0064	- 6.8	2	0	4	1	0	1
	.9938	+ 5.7	1	0	2	2	0	1
86.0073	.0064	+ 0.8	3	0	4	1	0	1
98.9767	.9778	- 1.1	3	0	1	1	1	1
116.0045	.0044	+ 0.0	3	0	4	2	1	1
158.0506	.0513	- 0.7	6	0	10	2	1	1
								C ₆ HON ₂ OS



A : TH-alanine (1) : fraction (1)
 B : TH-glycine (2) : fraction (2)
 P : TH-phenylalanine (3) : fraction (3)

Solvent system :

butyl acetate : n-heptane : formic acid =
 5 : 4 : 1

Spot : U. V. positive

Fig. 5. TLC of sequential degradation products of phenylalanyl glycyl alanine from the C-terminus.

考 察

(1) Glycine thiohydantoin 誘導體의 경우 重水素置換에 의하여 1, 3位의 imino型의 水素가 重水素로 置換되어져 2 mass 가 增加한 m/e=118에 分子이온 peak가 나타나 있다. 또 fragment peak에도 변화가 나타

나 thiohydantoin環의 carbonyl基의 離脫에 의한 m/e = 88 이 90에 m/e=59, 60 이 60, 61, 62로 변화되었다.

(2) Alanine thiohydantoin 誘導體에서도 m/e=130의 分子이온 peak가 132로 變하는 것을 비롯하여 側鎖에 methyl基가 結合한 채環의 carbonyl基가 離脫하여 m/e=102의 fragment peak가 104에 나타나 있다.

(3) Valine thiohydantoin 誘導體의 경우 m/e=158의 分子이온 peak가 160에 나타나 있다. 또한 isopropyl基가 離脫하여 m/e=116과 118이 base peak로 나타나 있다.

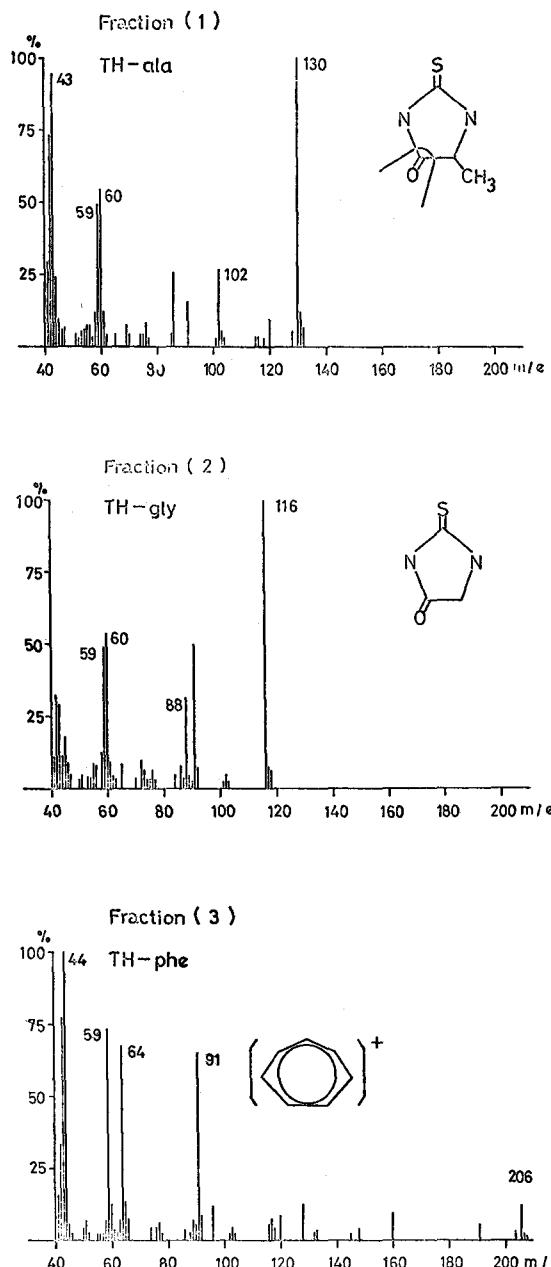
(4) 5-ethyl-2-thiohydantoin 誘導體의 경우 m/e=144의 分子이온 peak가 m/e=146에 나타나 있으며 環의 解裂은 ethyl基가 離脫한 후는 TH-glycine과 同一하다.

(5) 高分解能의 質量分析器에 의해 thiohydantoin環의 解裂時共通으로 나타나는 m/e=59, 60의 peak는 分子式으로부터 CHNS와 CH₂NS임이 確認되었다.

이상의 結果로부터 Fig. 4에 나타낸 바와 같은 解裂機構가 確認되었다.

側鎖R가 methyl基일 경우를 제외하고 먼저側鎖가 가 떨어져 나간 다음 thiohydantion環自體의 carbonyl基가 離脫되어 순간적으로 四員環을 만들므로 glycine과 valine의 경우 m/e=88, alanine의 경우는 m/e=102에 fragment peak가 나타나 있다. 다음 thiohydantoin環의 5位에相當하는 炭素가 離脫하여 m/e=74의 三員環이 되며, 계속하여 어느 쪽인가의 窒素가 離脫하여 m/e=60 또는 59의 fragment peak가 보여진다.

The mass Spectra of Fraction (1), (2), (3)



이들은 重水素置換에 의하여 각각 $m/e = 90$ 과 104, $m/e = 76$, $m/e = 62, 61, 60$ 등으로 변하여 나타나는 것임을 알았다.

(6) C 末端 amino acid의 溶離條件의 檢討는豫備試驗에서 sephadex G-25⁽⁷⁾ 보다 sephadex G-10이 優秀하였으며 1 ml/15 min에서 충분히 分離됨을 알 수 있었다.

(7) Phenylalanyl glycyl alanine의 逐次切斷反應에 의하여 分離되어진 각각의 thiohydantoin amino acid는 薄間 chromatography 上에는 複數의 spot가 보여 지지만 相對的인 量에 따라 質量分析의 chart에서는

a) fraction (1)에서는 $m/c = 130$ 과 102로 부터 alanine의 thiohydantoin 誘導體임이 確認되었다.

b) fraction (2)에서는 $m/e = 116$ 과 88로부터 glycine의 thiohydantoin 誘導體임을 알 수 있었다.

c) fraction (3)에서는 $m/e = 206$ 의 分子이온 peak와 tropolinium 이온에 由來하는 $m/e = 91$ 의 特徵의 peak로부터 phenylalanine의 thiohydantoin 誘導體임이 確認되었다.

이와 같은 結果로부터 元來의 peptide는 phenylalanyl glycyl alanine이었음을 알 수 있었으며, 實驗에 사용한 tripeptide의 amino acid配列과 一致함이 確認되었다.

結論

(1) 母核인 thiohydantoin 環의 解裂은 重水置換과 高分解能 質量分析器를 이용한 檢討에 의하여 側鎖의 관계를 포함한 環自體의 解裂樣式이 確實해졌다.

(2) Phenylalanyl glycyl alanine의 C 末端으로부터의 逐次切斷反應에 의하여 얻어진 각 fraction에 대하여 行한 mass spectrum의 결과, 三段階까지 逐次確認이 가능했다.

이와 같은 사실로부터 peptide C 末端으로부터의 滄次分析에 있어서 質量分析의 應用이 유효함을 알 수 있었다.

謝意

本實驗을 指導하여 주신 日本國 東北大學 農學部 教授 辻村 克良 博士, 同 助教授 目黒 熙 博士, 同 助手 鈴木 建夫 博士에게 深甚한 謝意를 表한다.

文 獻

- (1) F. Sanger ; in Currents in Biological Research
D. E. Green, Ed. New York, N. Y., Interscience,
434 (1956)
- (2) Smyth, D. G., Stein, W. H., Moore, S. ; J. Biol.
Chem., 238, 227 (1963)
- (3) Edmundson, A. B. ; Nature, 205, 883 (1965)
- (4) Canfield R. E. ; J. Biol. Chem., 238, 2698 (19
63)
- (5) Bromer, W. W., L. G. Behrens, O. K. ; J. Am.
Chem. Soc., 79, 2807 (1957)
- (6) Weber, K. ; Nature, 218, 1116 (1968)
- (7) George R. Stark ; Biochemistry, 7, 2, 1796 (19
68)
- (8) Saburo Yamashita ; Biochem. Biophys. Acta,
229, 301 (1971)
- (9) Nicolet, B. H. ; J. Biol. Chem., 88, 389 (1930)
- (10) Collins, R. F. ; Chem. Ind., London, 736 (1957)
- (11) 加藤哲夫, 青柳東彥, 脇道典, 光安舒夫, 泉尾信夫;
蛋白質 核酸 酶素 16, 1, 56 (1971)
- (12) 泉尾信夫; 蛋白質 核酸 酶素, 9, 7, 598 (1964)
- (13) 泉尾信夫; 蛋白質 核酸 酶素, 9, 11, 928 (1964)
- (14) 吉野論吉, 藤本昌利; Ion 交換法, 21 (1957)
- (15) Teeter, H. M., and Bell, E. W.; Organic synthesis,
4, 125 (1963)