

USDA germplasm collection의 상추 고온기 개화기 및 생산성 조사

박영인¹, 임경숙¹, 이은정¹, 장영희¹, 한정윤¹, 김정분¹, 김정화¹, 장석우², 김태성^{1*}

¹서울특별시 종로구 대학로 한국방송통신대학교 농학과

²전라북도 전주시 완산구 농생명로 농촌진흥청 국립원예특작과학원 채소과

[서론]

본 연구는 국내 시설재배 상추의 고온기 안정적 생산력에 대한 유용유전자를 찾기 위해 USDA germplasm collection의 상추 유전자원 260점을 고온기인 여름철에 파종 재배하여 추대 및 개화기, 생산성에 대한 생육조사를 실시하였다.

[재료 및 방법]

생산성에 대한 표현형 조사는 엽장, 엽중 등 농업기본 형질 및 개화기를 포함시켰고, 조사 대상은 USDA germplasm collection의 상추 260점을 중심으로 진행하였다. USDA germplasm collection의 상추 260점(Crisphead 46점, Romaine 48점, Butterhead 112점, Stem 6점, Leafy 48점)을 7월10일 Petri dish에 18립씩 담아 22°C 광조건의 Incubator 내에서 발아 시킨 후 7월14일 원예용 상토에 (128공, 플러그트레이, 3립) 37일간 이식파종 육묘 후 각 자원 당 4주씩 두둑 높이 10CM 포기 간 간격 20CM로 품종 간격 40CM 정식 후 비가림 시설에서 재배한 상추의 추대 및 개화 소요일수, 적산온도, 생산성을 조사 하였다.

[결과 및 고찰]

추대는 출퇴 시점을 기준으로 조사하였고 개화는 첫 번째 꽃봉오리가 피는 시점을 기준으로 하였다. 생산성은 정식 4주 후 수확이 가능한 엽장기준 14cm이상 되는 모든 잎을 유효 엽수로 정의하였고, 각 재식 된 상추의 평균 엽장, 유효엽수당 중량을 조사하였다. 정식 4주 후 생산성은 단위시간당 중량 조사 결과 타입별로 뚜렷한 차이는 없었으나 타입 내 품종 간에는 뚜렷한 차이를 보였다. 개화기에 대한 조사 표현형질은 그 분포가 정규분포 곡선을 따랐으므로 USDA germplasm collection의 상추 260점의 생산성 관련 표현형질은 향후 GWAS(전장유전체 연관 분석) 및 QTL분석으로 관련 유전자/ 분자표지를 탐색 할 수 있음을 알 수 있었다. 이러한 유전체정보를 통한 우리나라 시설상추재배의 생산성 증진 관련 유전자/분자표지마커의 발굴 및 개발은 실제 품종육성의 자원활용도 제고에 기여하게 될 것이다.

[사사]

본 연구는 농촌진흥청 차세대바이오그린21사업(과제번호 : PJ011921012017)의 지원에 의해 수행되었음.

주요 키워드: USDA germplasm collection, 상추 추대, 상추 개화, 적산온도, 표현형질, 유전체정보, GWAS, QTL분석, 유전자/ 분자표지마커

*주저자: Tel. 02-3668-4638, E-mail. kts117@knou.ac.kr