

동아시아산 빨가위벌류의 계통분석

권용정, 서수정, 서상재¹

경북대학교 농생물학과, ¹상주대학교 원예학과

동아시아산 빨가위벌류(*Osmia* sp.)를 대상으로 형태적인 형질(분석형질수: 83)과 더불어 DNA염기서열 (COI과 16S)을 이용하여, 종간 및 종내 지역간의 유연관계를 살펴보았다. 형태적 분석결과, 한국산과 일본산 붉은빨가위벌(*O. taurus*)은 각각 다른 그룹을 형성하였다. COI (분석형질수: 610)의 분석결과, 빨가위벌류(*Osmia* sp.)에서 외빨가위벌(*O. satoi*)이 유연관계가 가장 먼 종으로 형성되었으며, 형성된 분지도 역시 형태적 분석과 거의 일치하지 않았다. 반면, 16S (분석형질수: 525)는 형태적 분석결과와 일치하였으며, 한국산과 일본산 붉은빨가위벌(*O. taurus*)의 지역간 차이는 없었다. 각각 분석에 사용된 형태적인 형질과 DNA염기서열을 조합한 (분석형질수: 1218) 분석결과, 형성된 분지도는 빨가위벌류의 전통적인 계통분류체계와 완전히 일치하였다. 그리고 모든 형질을 이용한 분석에서도 한국산과 일본산 붉은빨가위벌(*O. taurus*)의 지역간 차이는 발견되지 않았다.