

RAPD에 의한 누에의 계통분류

김미애, 장승중, 이영보, 박해철

농업과학기술원 잠사곤충부

RAPD 분석을 이용하여 보존누에 279계통의 유전적 유연관계를 해석하였다. random primer 10개에서 polymorphic band를 84개를 얻어 UPGMA법에 의해 계통분류도를 작성해 본 결과, 아베나리형과 아베나리그 계통과 중국종의 C3와 C5 계통이 유사도 0.93으로 가장 가까운 유연관계를 나타냈고, 중27은 C14와 C5 계통과 0.90의 유사도를 나타냈고, 0.89의 유사도를 나타낸 계통은 무등과 모란, Y4와 잠110, 잠119와 NB18 계통이었다.

작성된 계통분류도는 크게 2개의 group - A와 B group - 으로 나눌 수 있었고, A group은 다시 몇 개의 subgroup으로 분지되었다.