

# 벼의 통일형과 일반형 교배후대에서 분자유전자 지도를 이용한 주요 농업형질의 양적형질 유전자좌(QTL) 분석

## IV. 심백, 복백 및 알칼리 붕괴도

강현중<sup>1</sup>, 조용구<sup>2</sup>, 이영태<sup>1</sup>, 은무영<sup>2</sup>, 조수연<sup>1</sup>, 심재욱<sup>3</sup>

1. 호남농업시험장 수도과, 2. 농업과학기술원 세포유전과, 3. 서울대학교 농생대

Mapping of QTL based on molecular map conferring agronomic traits in recombinant inbred lines from tongil type X japonica type of rice (*Oryza sativa* L.)

### IV. White core, white belly and alkali digestion vlaue

Hyeon Jung Kang<sup>1</sup>, Yong Gu Cho<sup>2</sup>, Young Tae Lee<sup>1</sup>, Moo Young Eun<sup>2</sup>, Soo Yeon Cho<sup>1</sup>, Jai Wook Shim<sup>3</sup>

1. Nat'l Honam Agri. Exp. Sta., 2. Nat'l Agri. Sci. & Tech. Ins., 3. Seoul Nat'l Uni. College of Agri. & Life Sci.

### 실험목적

통일형과 일반형 교배로 이루어진 recombinant inbred lines에 대한 변이분포 조사와 분자유전자 지도를 이용하여 심백과 복백 및 알칼리 붕괴도에 대한 양적형질 유전자좌(QTL)를 살펴보고자 하였다.

### 재료 및 방법

통일형인 밀양 23호와 일반형인 기호벼의 교배로 이루어진 164계통의 recombinant inbred lines을 이용하여 RFLP marker에 대한 분리조사를 실시, 이를 기초로 분자유전자 지도를 작성하였으며, 164 계통을 포장에 재배 수확후 현미상태의 심백과 복백 및 백미의 알칼리 붕괴도를 조사하였다. QTL 분석은 SAS를 이용한 oneway ANOVA 검정과 MAPMAKER/QTL 프로그램을 이용한 interval mapping을 실시하였다.

### 실험결과

1. 조사된 형질들의 분포도는 정규분포에 가까운 형태를 보였으며, 모든형질에서 양친의 범위를 벗어나는 초월분리 현상을 나타냈다.
2. QTL 분석결과 심백에 있어서는 3개의 QTLs이 4번, 6번, 8번 염색체에 위치하였고, QTLs이 설명할 수 있는 표현형 변이는 35.6%로 나타났다.
3. 복백에 대해서는 2번, 7번, 8번 염색체에 3개의 QTLs이 조사되었으며, 91.6%의 표현형 변이를 설명할 수 있는 것으로 나타났고, 8번 염색체에 나타난 QTL은 66.9%의 표현형 변이를 설명할 수 있어 복백에 대한 주동인자 QTL로 나타났다.
4. 알칼리 붕괴도에 있어서는 3번, 7번, 8번 염색체에 3개의 QTLs이 조사되었으며, 설명할 수 있는 표현형 변이정도는 32.4%로 나타났다.

Table 1. Means of white core, white belly and alkali digestion value in F<sub>11</sub> MG RILs.

Traits	Milyang23 (P1)	Gihobyeo (P2)	(P1+P2)/ 2	RIL (Mean ± SD)	Range
White core (0~9)	5.0	3.0	4.0	3.7±2.2	0~9
White belly (0~9)	1.0	5.0	3.0	3.4±2.7	0~9
Alkali digestion value (1~7)	5.5	5.0	5.3	4.8±0.9	2.5~6.5

Table 2. Characteristics of QTLs detected affecting white core, white belly and alkali digestion value(ADV) in F<sub>11</sub> MG RILs.

Trait	QTL	Ch no.	Marker bordering the QTL	Total length	QTL POS	Peak LOD	%Var	Phenotypic effect
White Core	WC 1	4	RG476-RZ590	3.0	2.0	3.95	11.3	-1.46
	WC 2	6	RZ884-RG433	1.0	0.0	3.31	8.9	-1.31
	WC 3	8	RG20-C825	9.5	8.0	5.93	15.4	-1.78
White belly	WB 1	2	RG102-RZ103	10.9	6.0	2.21	7.6	1.48
	WB 2	7	KCD405-RZ395	3.2	0.0	6.39	17.1	2.22
	WB 3	8	RG885-RG598	86.9	34.0	5.09	66.9	-4.44
Alkali diges- tion value	ADV1	3	RG558-RG96	76.9	32.0	2.44	18.8	-0.75
	ADV2	7	KCD405-RZ395	3.2	0.0	2.28	6.4	-0.44
	ADV3	8	RG598-RZ66	20.9	20.0	2.25	7.2	0.45