

## 107. 수도 주요내영성 관련성질의 유전에 관한 연구

### I. 염해당 수도의 양적 성질

호남작물시험장 : 정진임

원광대학교 : 이만상

Genetic Analysis of major Agronomic Characters Related to salt Tolerance in Rice.

#### I. Quantitative Character of rice in heigh saline soil.

Nonam Crop Experiment station : J.I.Cheong  
Won Kwang University : M.S.Lee

##### (실험목적)

그 염답에 적용할 수 있는 수도 내영성 품종을 위한 기초자료를 얻고자, 고배친과  $F_1$ , 및  $F_2$ 의 16개 조합들을 그 염답에 재배하여, 각 성질에 대한 잡종 강세, 조합능력, 유전자작용의 분석 및 주요성질간의 상관관계를 검토하였다.

##### (재료 및 방법)

내영성 품종이며 장간이고 국만생종인 Kalarata와, 단간이며 국조생종인 Annapurna, 중만생종이며 내영성이 중장도인 서광벼와 백양벼, 약하게 보이는 칠성벼와 태백벼 등 6품종을 '85/'86 등기에 2번고배를 실시하였다.  $F_1$ ,  $F_2$  잡종과 고배친을 각각 '86, '87년 하계에 호남작물시험장 기화도축장소, 염농도 5 mmhos/cm 정도인 포장에서 재배하였으며, 재식거리는 30 × 15 cm 하여  $F_1$ 은 구당 20주를 1주 1분씩,  $F_2$ 는 조밀당 200개세씩 난괴법 2반복으로 이망하였다. 조합능력은 Griffing 방법의 Model 1, Method 2에 의한 분석하였고, 유전자 분포형태 및 우성정도등은 Hayman and Jinks 방법에 따랐다.

##### (실험결과 및 고찰)

1. 잡종 강세는 전성질에서 나타났으며, 특히 간장, 수수, 수당영화수 및 고종 등의 성질에서 7~49%의 높은 잡종 강세를 나타냈음.
2. GCA 효과는 Kalarata가 간장, 수당영화수, 고종 및 출수일수에서 컸고, Annapurna는 수수에서 칠성벼는 임실비율에서 컸다.
3. SCA 효과는 Kalarata를 고배친으로 사용한 조합에서 출수일수, 간장, 수당영화수에서 컸다.
4. GCA/SCA 비는 임실비율, 간장, 고종 등의 순으로 크게 나타났고, GCA 분산이 SCA 분산보다 매우 큰 것으로 보아, 상가적 효과가 비상가적 효과보다 더 크게 작용한 것으로 추정됨.
5. 각성질별 우성정도는 세대간차는 있지만 출수일수, 간장, 수수, 수당영화수, 고종에서는 초우성을 임실비율은 부분우성을 나타냈음.
6. 우성의 방향은 출수일수, 간장, 수수, 수당영화수, 고종 등에서는 정의 방향을 나타냈고, 임실비율은 부의 방향을 나타냈음.
7. 유효유전자 수는 출수일수, 간장 등은 매우 적었고, 수수, 수당영화수 및 임실비율 등은 1~2%, 수당고종은 3개이상의 유전인자가 관여하고 있는 것으로 추정됨.
8. 광의 유전력은 모든 성질에서 높았으며, 협의의 유전력은 임실비율, 간장, 출수일수 등이 91.2~78.2 정도 이었다.
9. 유전성관은 표현형 상관보다 높았으며, 각각의 특성에서 간장은 출수일수, 수당영화수 및 고종에서 정의 상관을, 수수와 임실비율과는 부의 상관을 보였다.

Table 2. Genotypic and phenotypic correlation between all pairs of characters in  $F_1$  and  $F_2$  generations.

Character	Geno- (1)	(2)	(3)	(4)	(5)	(6)	(7)
(1) Days to flowering	$F_1$	-	.7356	.4572	-.3055	.4672	-.6986
Kalarata	M <sup>b</sup>	123.7	72.1	22.9	10.4	86.1	43.2
Z	4.6	22.6	11.0	17.4	22.4	-.32.7	42.0
Annapurna	F <sup>b</sup>	115.6	57.4	23.4	17.0	90.6	62.0
M <sup>b</sup>	117.3	55.7	21.5	11.4	80.7	73.6	14.3
Z	-1.6	3.1	8.9	49.9	12.2	-.15.7	61.3
Seogwangbyeo	F <sup>b</sup>	126.7	61.9	22.1	16.2	92.2	67.3
M <sup>b</sup>	123.5	61.1	20.7	11.6	85.7	71.9	16.5
Z	2.7	1.3	7.0	40.3	7.6	-.6.4	58.5
Baegyangbyeo	F <sup>b</sup>	116.0	58.5	22.0	15.5	89.6	70.6
M <sup>b</sup>	119.9	55.6	20.3	10.8	82.3	70.6	14.8
Z	-2.5	5.4	8.7	43.1	8.9	0	60.0
Chilsonghyeo	F <sup>b</sup>	120.6	61.4	21.5	14.9	85.8	71.9
M <sup>b</sup>	120.1	59.5	19.7	11.1	92.9	75.5	14.1
Z	0.5	3.2	9.2	34.8	7.7	-.4.8	36.7
Taenaebyeo	F <sup>b</sup>	118.0	59.8	22.5	15.8	86.4	75.2
M <sup>b</sup>	120.3	56.9	20.6	11.7	85.7	69.9	15.1
Z	-1.9	5.2	9.5	34.7	0.8	7.6	50.8
MEAN	F <sup>b</sup>	121.5	64.6	22.8	15.2	91.7	62.7
M <sup>b</sup>	121.1	60.1	21.0	11.7	85.6	67.4	16.2
Z	0.2**	6.8**	8.8	36.0**	7.4**	-.8.7**	4.9

Genotypic and phenotypic correlations are on the right and left side of diagonal, respectively.

\* \*\* : Significant at 5% and 1% level, respectively.

Table 3. Analysis of variances for general(GCA) and specific combining ability(GCA) for agronomic characters on  $F_1$  and  $F_2$  generations.

Source of variance	D.F. flower- ing	Culm length	Panicle length	Panicle No./hill	Spikelet No./panicle	Fertil- ity	Straw weight/ hill
Variety	$F_1$	20 171.8**	608.2**	12.4**	26.8**	297.4**	1407.**
	$F_2$	20 267.2**	377.1**	11.4**	11.9**	205.1**	1566.**
G C A	$F_1$	5 265.6**	1000**	19.9**	13.3**	184.7**	2572**
	$F_2$	5 397.4**	989.9**	19.8**	12.2**	193.5**	2599**
G C A	$F_1$	15 28.7**	72.0**	1.6**	13.4**	136.7**	80.6**
	$F_2$	15 45.7**	54.8**	1.14**	28.8**	72.3**	187.0**
G C A / G R A	$F_1$	9.87	13.89	12.13	0.99	1.33	31.91
	$F_2$	8.70	16.46	17.37	2.68	11.68	11.29

\* \*\* : Significant at 5% and 1% level, respectively.

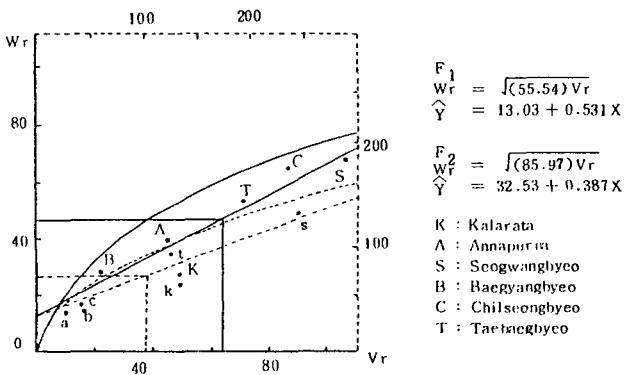


Fig. 1. Wr-Vr graph for days to flowering  
 $F_1$  generation : Solid line and capital letter  
 $F_2$  generation : Dotted line and small letter

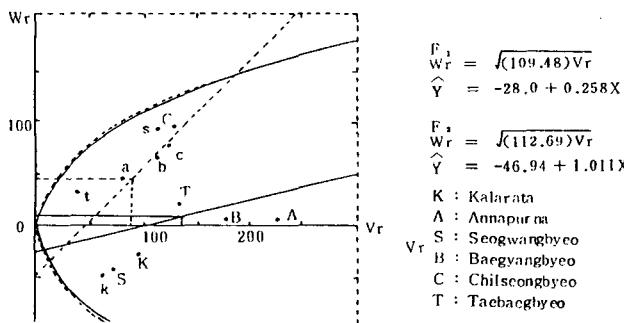


Fig. 2. Wr-Vr graph for spikelet number per panicle  
 $F_1$  generation : Solid line and capital letter  
 $F_2$  generation : Dotted line and small letter